8 ANHANG

I. Sequenzen

I.1 DNA-Sequenz und daraus abgeleitete Aminosäure-Sequenz des Klons *NtCPIP1* aus *Nicotiana tabacum*.

```
gcaaaagagcgagagagagagagagagagagagagagagagagagagagagagagaaa  60
atgggcgttgattactacaaaatactcaaagtgtcacgcaatgcgagtgaagaagatttg  120
 M  G  V  D  Y  Y  K  I  L  K  V  S  R  N  A  S  E  E  D  L  20
aaaaaatcgtacaagcgattggcgatgaaatggcatccggataagaacagtgagaaagaa  180
 K  K  S  Y  K  R  L  A  M  K  W  H  P  D  K  N  S  E  K  E  40
gcagaagcgaaattcaagcagatatcggaggcctatgatgtgctaagtgatccacagaag  240
 A  E  A  K  F  K  Q  I  S  E  A  Y  D  V  L  S  D  P  Q  K  60
cgtcagatctatgatatatacggcgatgaggcgttgaaatcgggtcaattcgatccctcg  300
 R  Q  I  Y  D  I  Y  G  D  E  A  L  K  S  G  Q  F  D  P  S  80
tcacctatgaatggtaatgggagaggatttaagttcgattcgcgtgatgcggaagatatt  360
 S  P  M  N  G  N  G  R  G  F  K  F  D  S  R  D  A  E  D  I  100
tttgcggaatttttggtggatcggatgggtatagtaggagtcctactggtggtactgta  420
 F  A  E  F  F  G  G  S  D  G  Y  S  R  S  P  T  G  G  T  V  120
cggattaggaagccggcgccggtggagaacaagttgccatgtagcttggaggaattgtac  480
 R  I  R  K  P  A  P  V  E  N  K  L  P  C  S  L  E  E  L  Y  140
aagggttctaagaggaagatgaagatttcaaggattgttcttgatgtcactggtaagcct  540
 K  G  S  K  R  K  M  K  I  S  R  I  V  L  D  V  T  G  K  P  160
acaacaattgaagaggtcttggcaatacacattaaacctggttggaagaaaggcacaaaa  600
 T  T  I  E  E  V  L  A  I  H  I  K  P  G  W  K  K  G  T  K  180
atcacttttccagagaaagggaaccatgaacctggagctgcacctggtgatcttattttt  660
 I  T  F  P  E  K  G  N  H  E  P  G  A  A  P  G  D  L  I  F  200
gtaatcgatgaaaagccacatgatgtcttcaagagagatggaaatgatctagtgatcaat  720
 V  I  D  E  K  P  H  D  V  F  K  R  D  G  N  D  L  V  I  N  220
cagaaaatctcattagtagatgctctctctgggaagattatcaacttggctactttggat  780
 Q  K  I  S  L  V  D  A  L  S  G  K  I  I  N  L  A  T  L  D  240
ggaagggaactcacgataccaatcacagatgttgttaagccaggacatgagcagataatc  840
 G  R  E  L  T  I  P  I  T  D  V  V  K  P  G  H  E  Q  I  I  260
gcagatgaaggaatgccaatatcaaaagaacccgggaagaaaggaaatttgaggatcaag  900
 A  D  E  G  M  P  I  S  K  E  P  G  K  K  G  N  L  R  I  K  280
tttgaggttaagttcccgtcaaggcttagttcagatcagaaattggatatcagaagagtg  960
 F  E  V  K  F  P  S  R  L  S  S  D  Q  K  L  D  I  R  R  V  300
ctgggcaggactgttgactaatccagtgcttaacttaaggtatcactaacactgactgat  1020
 L  G  R  T  V  D  -  305
tgtggaagtgcaatggaatgtaaatacttggaaagtttatgctagacaggagaattgtgc  1080
atagtaggattattgttttgacgatgcctctcaaagtttagttttatttagcgccataaa  1140
aggagcactctagcagctatgccagctgcctatgtaattctcatgttggatattaaacac  1200
cttaggtagtttactaagttttaatgtttgatttggaggtagatgctatacttcaagtaa  1260
ttggagtcgggaatagcttgctatcttgttctggttgtgaatttcaactgtgggctgtgg  1320
tagactggtaatgaataaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa  1371
```

I.2 DNA-Sequenz der kodierenden Region und daraus abgeleitete Aminosäure-Sequenz des Klons *NtCPIP2a* aus *Nicotiana tabacum*.

```
atgggacttgattactataacgtactaaaagtatctcggaatgcaagtgaagaagattta  60
 M  G  L  D  Y  Y  N  V  L  K  V  S  R  N  A  S  E  E  D  L  20
aagagatcgtacaagcgattagctatgaaatggcatccagataagaacagtcagaacaaa  120
 K  R  S  Y  K  R  L  A  M  K  W  H  P  D  K  N  S  Q  N  K  40
aaagaagcagaagcaaaattcaagcagatttctgaagcgtatgatgtgcttagtgatcct  180
 K  E  A  E  A  K  F  K  Q  I  S  E  A  Y  D  V  L  S  D  P  60
aagaagcgtcagatctatgacgtgtacggtgatgatgcattgaaatccggtcaatttgcc  240
 Q  K  R  Q  I  Y  D  V  Y  G  D  D  A  L  K  S  G  Q  F  A  80
tcggcgtcgccgactagtgctggtagtaacgccagagggtttaggttcaatacgcgtgat  300
 S  A  S  P  T  S  A  G  S  N  A  R  G  F  R  F  N  T  R  D  100
gcggaggctatttttgctgagtttttcggtggatcgggtagtaattccggtgccggagtc  360
 A  E  A  I  F  A  E  F  F  G  G  S  G  S  N  S  G  A  G  V  120
ggtcggaaggcggcgccggtggagaataaactgccgtgtagcttggaggagctttacaaa  420
 G  R  K  A  A  P  V  E  N  K  L  P  C  S  L  E  E  L  Y  K  140
ggttctagaagaaaaatgaagatctcacggattcttctggatgactctggtaagcctaca  480
 G  S  R  R  K  M  K  I  S  R  I  L  L  D  D  S  G  K  P  T  160
actgttgaagaggtcttagcgatacacatcaagcctggttggaagaaaggcacaaaaatc  540
 T  V  E  E  V  L  A  I  H  I  K  P  G  W  K  K  G  T  K  I  180
actttcccagagaaaggaaactatgagcctggagctactcctggtgatcttatttttgtg  600
 T  F  P  E  K  G  N  Y  E  P  G  A  T  P  G  D  L  I  F  V  200
atagatgaaaagccgcatgctgtcttcaagagggatggaaatgatctggagatcaatcag  660
 I  D  E  K  P  H  A  V  F  K  R  D  G  N  D  L  E  I  N  Q  220
aaaatttctttactagatgctcttactgggaaaactataagcttgatcactttggatgga  720
 K  I  S  L  L  D  A  L  T  G  K  T  I  S  L  I  T  L  D  G  240
cgggaactcacaataccaatcacagatattgttaaaccaggacatgagcatataatccca  780
 R  E  L  T  I  P  I  T  D  I  V  K  P  G  H  E  H  I  I  P  260
aatgaaggaatgccaatatcaaaggaacgtggcaagaaaggaaatttgaagatcaagttt  840
 N  E  G  M  P  I  S  K  E  R  G  K  K  G  N  L  K  I  K  F  280
gacattaaattcccatcaaggctaagtgcagatcagaaatctgatatcaggagggtactg  900
 D  I  K  F  P  S  R  L  S  A  D  Q  K  S  D  I  R  R  V  L  300
tgcaggagcgctgactaa  918
 C  R  S  A  D  - 305
```

I.3 DNA-Sequenz der kodierenden Region und daraus abgeleitete Aminosäure-Sequenz des Klons *NtCPIP2b* aus *Nicotiana tabacum*.

```
atgggacttgattactatgacgtactgaaagtatctcggaatgcaagtgaagaagattta  60
 M  G  L  D  Y  Y  D  V  L  K  V  S  R  N  A  S  E  E  D  L  20
aagagatcgtataagcgattagcgatgaaatggcatccagataagaacagtcagaacaaa  120
 K  R  S  Y  K  R  L  A  M  K  W  H  P  D  K  N  S  Q  N  K  40
aaggaagctgaagcgaaattcaagcagatttctgaagcgtatgatgtgcttagtgatcct  180
 K  E  A  E  A  K  F  K  Q  I  S  E  A  Y  D  V  L  S  D  P  60
cagaagcgtcagatctatgacgtgtacggtgatgatgcattgaaatccggtcaatttgct  240
 Q  K  R  Q  I  Y  D  V  Y  G  D  D  A  L  K  S  G  Q  F  A  80
tcggcgtcgccgactagtgctggtagtaacggcagaggatttaggttcaatacgcgtgac  300
 S  A  S  P  T  S  A  G  S  N  G  R  G  F  R  F  N  T  R  D  100
gcggaggctattttcgctgagtttttcggtggatcggatagtaattccgctgccggagta  360
 A  E  A  I  F  A  E  F  F  G  G  S  D  S  N  S  A  A  G  V  120
ggtcggaaggcggcaccggtggagaataaactgccgtgtagcttggaggagctttacaaa  420
 G  R  K  A  A  P  V  E  N  K  L  P  C  S  L  E  E  L  Y  K  140
ggatctagaaggaaaatgaagatctcacggattcttcttgatgactctggtaagcctaca  480
 G  S  R  R  K  M  K  I  S  R  I  L  L  D  D  S  G  K  P  T  160
```

```
actgttgaagaggtcctagcgatacacatcaaaccaggttggaagaaaggcacaaaaatc  540
 T  V  E  E  V  L  A  I  H  I  K  P  G  W  K  K  G  T  K  I  180
actttcccagagaaagggaactatgaacctggagctactcctggtgatcttatttttgtg  600
 T  F  P  E  K  G  N  Y  E  P  G  A  T  P  G  D  L  I  F  V  200
atagatgaaaagccacatgctgtcttcaagagggatggaaatgatctagtgatcaatcag  660
 I  D  E  K  P  H  A  V  F  K  R  D  G  N  D  L  V  I  N  Q  220
aaaatatctttactagatgctcttactgggaaaactataagcttgatcactttggatgga  720
 K  I  S  L  L  D  A  L  T  G  K  T  I  S  L  I  T  L  D  G  240
cgggaactcacaataccaatcacagatgttgttaaaccaggacatgagcatataatccca  780
 R  E  L  T  I  P  I  T  D  V  V  K  P  G  H  E  H  I  I  P  260
aatgaaggaatgccaatatcaaaggaacgtggcaagaaaggaaatttgaagatcaagttt  840
 N  E  G  M  P  I  S  K  E  R  G  K  K  G  N  L  K  I  K  F  280
gacattaaattcccatctaggctaagtgcagatcagaaatctgatatcaggagggtactg  900
 D  I  K  F  P  S  R  L  S  A  D  Q  K  S  D  I  R  R  V  L  300
tgcaggaactctgactaa  918
 C  R  N  S  D  - 305
```

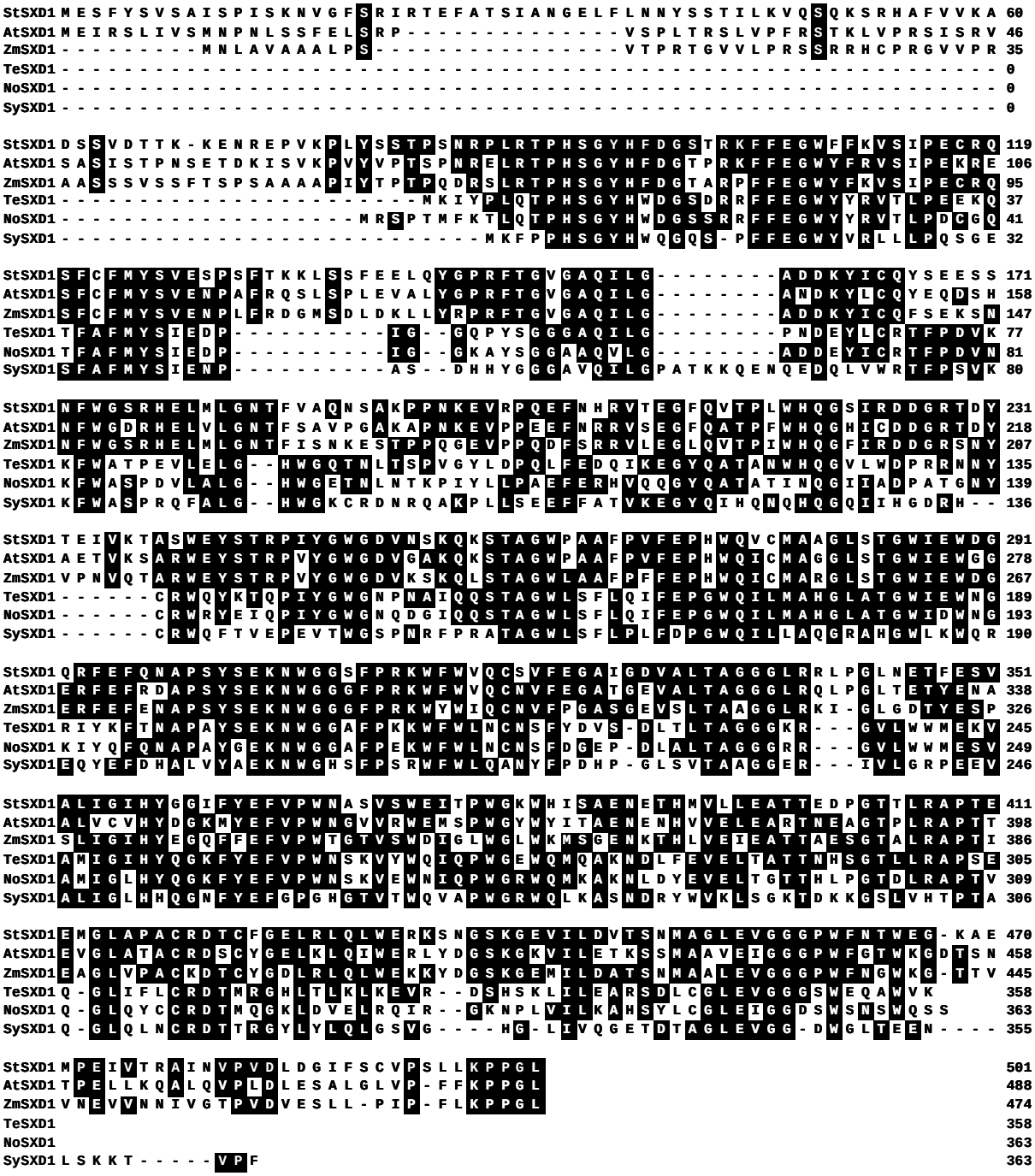
I.4 DNA-Sequenz und daraus abgeleitete Aminosäure-Sequenz des Capsid Proteins (CP) eines *Potato virus Y* (Stamm N) Feldisolates (vgl. Herbers *et al.*, 1996a)

```
gcaaatgacacaattgatgcaggaggaagctctaagaaagatgcaaaccaagagcaaagt 60
 A  N  D  T  I  D  A  G  G  S  S  K  K  D  A  N  Q  E  Q  S 20
agcattcaaccaaatcccaacaagagaaaggaaaaggacgtgaatgttggaacatctgga 120
 S  I  Q  P  N  P  N  K  R  K  E  K  D  V  N  V  G  T  S  G 40
actcacactgtgccacgaattaaagctatcacgtccaaaatgagaatgcccaagagtaag 180
 T  H  T  V  P  R  I  K  A  I  T  S  K  M  R  M  P  K  S  K 60
Ggtgcaactgtactaaatttagaacatttactcgagtatgctccacagcaaattgacatc 240
 G  A  T  V  L  N  L  E  H  L  L  E  Y  A  P  Q  Q  I  D  I 80
tcaaatactcgagcaactcaatcacagtttgatacatggtatgaagcagtacaacttgca 300
 S  N  T  R  A  T  Q  S  Q  F  D  T  W  Y  E  A  V  Q  L  A 100
tacgacataggagaaactgaaatgccaactgtgatgaatgggcttatggtttggtgcatt 360
 Y  D  I  G  E  T  E  M  P  T  V  M  N  G  L  M  V  W  C  I 120
gaaaatggaacctcgccaaatatcaatggagtttgggttatgatggatggagatgaacaa 420
 E  N  G  T  S  P  N  I  N  G  V  W  V  M  M  D  G  D  E  Q 140
atcgaatacccactaaaaccaatcgttgagaatgcaaaaccaacacttaggcaaatcatg 480
 I  E  Y  P  L  K  P  I  V  E  N  A  K  P  T  L  R  Q  I  M 160
gcacatttctcagatgttgcagaagcgtacatagaaatgcgcaacaaaaaggaaccatac 540
 A  H  F  S  D  V  A  E  A  Y  I  E  M  R  N  K  K  E  P  Y 180
atgccacgatatggtttagttcgtaatctgcgcgatggaagtttggctcgctatgctttt 600
 M  P  R  Y  G  L  V  R  N  L  R  D  G  S  L  A  R  Y  A  F 200
gacttttatgaagtcacatcacgaacaccagtgagggctagagaggcacacattcaaatg 660
 D  F  Y  E  V  T  S  R  T  P  V  R  A  R  E  A  H  I  Q  M 220
aaggccgcagctttaaaatcagctcaatctcgacttttcggattggatggtggcatcagt 720
 K  A  A  A  L  K  S  A  Q  S  R  L  F  G  L  D  G  G  I  S 240
acacaagaggaaaacacagagaggcacaccaccgaggatgtttctccaagtatgcatact 780
 T  Q  E  E  N  T  E  R  H  T  T  E  D  V  S  P  S  M  H  T 260
ctacttggagtcaagaacatg 801
 L  L  G  V  K  N  M 267
```

I.5 DNA-Sequenz und abgeleitete Aminosäure-Sequenz des Klons *StSXD1* aus *Solanum tuberosum.*

```
gttgccgctcctcaaaaactctacaatcccacctttgatccaaaatcaaccatggagagc  60
                                                        M  E  S  3
ttttatagtgtttccgccatttctccaatttcgaaaaatgttggattttctaggattagg  120
 F  Y  S  V  S  A  I  S  P  I  S  K  N  V  G  F  S  R  I  R  23
accgaatttgcaacttcaattgcaaatggggaacttttttgaataattattcatctact  180
 T  E  F  A  T  S  I  A  N  G  E  L  F  L  N  N  Y  S  S  T  43
atcctgaaggtgcagtctcaaaaatcaagacatgcatttgtagtcaaagctgattcatct  240
 I  L  K  V  Q  S  Q  K  S  R  H  A  F  V  V  K  A  D  S  S  63
gttgacaccacaaagaaggaaaacagggagcctgtgaaaccgctttactcttctacgcct  300
 V  D  T  T  K  K  E  N  R  E  P  V  K  P  L  Y  S  S  T  P  83
tctaatcgtcctcttcgaactcctcatagcgggtatcattttgatggaagtaccaggaaa  360
 S  N  R  P  L  R  T  P  H  S  G  Y  H  F  D  G  S  T  R  K  103
ttctttgaaggttggttctttaaggtatcaattccagagtgcagacagagtttctgcttc  42ß
 F  F  E  G  W  F  F  K  V  S  I  P  E  C  R  Q  S  F  C  F  123
atgtattctgtagagagtccttcatttaccaagaaattaagcagctttgaggagctgcaa  480
 M  Y  S  V  E  S  P  S  F  T  K  K  L  S  S  F  E  E  L  Q  143
tatggtcctcggtttactggtgtgggagctcaaattcttggtgcagatgacaagtacatt  540
 Y  G  P  R  F  T  G  V  G  A  Q  I  L  G  A  D  D  K  Y  I  163
tgtcaatatagtgaagagtcttcaaacttctggggaagtaggcatgaactgatgcttggt  600
 C  Q  Y  S  E  E  S  S  N  F  W  G  S  R  H  E  L  M  L  G  183
aacacctttgttgcccaaaatagtgctaaacccccaaataaggaagttcgccctcaggag  660
 N  T  F  V  A  Q  N  S  A  K  P  P  N  K  E  V  R  P  Q  E  203
ttcaatcaccgcgtcacagagggttttcaagtcaccccactttggcatcaaggatctatt  720
 F  N  H  R  V  T  E  G  F  Q  V  T  P  L  W  H  Q  G  S  I  223
cgagatgacgggaggacagattatactgaaattgtgaaaactgctagctgggagtatagc  780
 R  D  D  G  R  T  D  Y  T  E  I  V  K  T  A  S  W  E  Y  S  243
acacggcccatttatggatggggcgatgttaactcaaagcagaagtccacggcaggatgg  840
 T  R  P  I  Y  G  W  G  D  V  N  S  K  Q  K  S  T  A  G  W  263
cctgctgcttttccagtatttgagccacattggcaagtttgcatggcagctggactttca  900
 P  A  A  F  P  V  F  E  P  H  W  Q  V  C  M  A  A  G  L  S  283
acaggctggatagagtgggatggtcagcggtttgagtttcaaaatgccccttcttactcc  960
 T  G  W  I  E  W  D  G  Q  R  F  E  F  Q  N  A  P  S  Y  S  303
gaaaagaactggggtggttccttcccaagaaagtggttttgggtccagtgcagtgtattt  1020
 E  K  N  W  G  G  S  F  P  R  K  W  F  W  V  Q  C  S  V  F  323
gaaggtgcaattggagatgttgctttgactgctggtggtggattaaggcgacttccggga  1080
 E  G  A  I  G  D  V  A  L  T  A  G  G  G  L  R  R  L  P  G  343
ttgaatgagacttttgaaagtgttgctctgataggaattcactatggaggtatcttctat  1140
 L  N  E  T  F  E  S  V  A  L  I  G  I  H  Y  G  G  I  F  Y  363
gaatttgttccatggaatgctagtgttagttgggaaatcactccctggggtaaatggcat  1200
 E  F  V  P  W  N  A  S  V  S  W  E  I  T  P  W  G  K  W  H  383
atatctgcggagaatgagacacatatggtattactagaagcaacaacagaagatcctgga  1260
 I  S  A  E  N  E  T  H  M  V  L  L  E  A  T  T  E  D  P  G  403
accacattgcgggctcctacagaagagatgggactcgctcctgcgtgtagagacacttgt  1320
 T  T  L  R  A  P  T  E  E  M  G  L  A  P  A  C  R  D  T  C  423
ttcggtgagctaagactgcagttgtgggaacggaagagtaatgggagtaaaggagaggtt  1380
 F  G  E  L  R  L  Q  L  W  E  R  K  S  N  G  S  K  G  E  V  443
attttggatgttacaagcaatatggcaggtctagaagttgggggagggccatggttcaac  1440
 I  L  D  V  T  S  N  M  A  G  L  E  V  G  G  G  P  W  F  N  463
acatgggagggaaaagcagagatgccggaaattgttactcgagctatcaatgttcctgtg  1500
 T  W  E  G  K  A  E  M  P  E  I  V  T  R  A  I  N  V  P  V  483
gatttggatggcatattcagctgtgttccttcacttctcaaacctcctggcctttgagca  1560
 D  L  D  G  I  F  S  C  V  P  S  L  L  K  P  P  G  L  -     501
aaaggcaaaaagggagcaactttatggcaaaactagttatagaatgagaatcattatact  1620
tgattacattttgtaaatagccgtcatcttgcctattgacttgtctcaggttgcacctaa  1680
cagtatttttatggaaaatcttattgctagtatagcagaa  1720
```

II. Sequenzvergleich von SXD1-Proteinen



Aminosäurevergleich von StSXD1 aus *Solanum tuberosum* mit orthologen Proteinen aus *Arabidopsis thaliana* (AtSXD1, Genbank Acc.-Nr. AF302188) und Mais (ZmSXD1, AF302187) sowie aus den photosynthetischen Mikroorganismen *Trichodesmium erythraeum* (TeSXD1, ZP_00073283), *Nostoc sp* (NoSXD1, BAB77769) und *Synechocystis sp.* (SySXD1; Acc.-Nr. BAA17775). Aminsosäuren, die mit der Konsensussequenz übereinstimmen sind schwarz unterlegt. Der Amiosäurevergleich erfolgte mit der ClustalW-Methode im MegAlign-Programm (DnaStar Inc., Wisconsin, USA).

III. Oligonukleotide

Bezeichnung	*Sequenz*	*Verwendung*
D44	5´-AT GAA TTC GCA AAT GAC ACA ATT GAT GC-3´	5´-Primer PVY CP für pGBT9
D45	5´-AT GTC GAC CAT GTT CTT GAC TCC AAG TAG-3´	3´-Primer PVY CP für pGBT9
D83	5´-AT GGA TCC AAA CA ATG GCA ATG TCA ATG GTG GTG TAC-3´	5´-Primer MP17 für pUC-*alc*A
D84	5´-AT GGA TCC TTA TCA TCC GCG CTT GAT AAG-3´	3´-Primer MP17 für pUC-*alc*A
D85	5´-AT GGA TCC TTA TTT GTA TAG TTC ATC CAT GC´-3´	3´-Primer mGFP5 für pUC-*alc*A
D117	5´-GAA TTC AGT GGC ACT GTG GAT GCT GGT GCT G-3´	5´-Primer TEV CP für pGBT9
D118	5´-GGA TCC TCA CTG GCG GAC CCC TAA TAG TGT G-3´	3´-Primer TEV CP für pGBT9
D126	5´-TGC ATT GAA AAT GGA ACC TGG CCA AAT ATC AAT GGA GTT-3´	fwd*-Primer für S125W Substitution
D127	5´-AAC TCC ATT GAT ATT TGG CCA GGT TCC ATT TTC AAT GCA-3´	rev**-Primer für S125W Substitution
D128	5´-AAT GCA AAA CCA ACA CTT GAC CAA ATC ATG GCA CAT TTC-3´	fwd-Primer für R157D Substitution
D129	5´-GAA ATG TGC CAT GAT TTG GTC AAG TGT TGG TTT TGC ATT-3´	rev-Primer für R157D Substitution
D130	5´-TTG GCT CGC TAT GCT TTT AGG TTT TAT GAA GTC ACA TCA-3´	fwd-Primer für D201R Substitution
D131	5´-TGA TGT GAC TTC ATA AAA CCT AAA AGC ATA GCG AGC CAA-3´	rev-Primer für D201R Substitution
D134	5´-GAA TTC AAG GAA AAG GAC GTG AAT GTT GG-3´	5´-Primer PVY CPΔ29N für pGBT9
D135	5´-GTC GAC GTG CCT CTC TGT GTT TTC CTC TTG-3´	3´-Primer PVY CPΔ18C für pGBT9
D153	5´-GGA TCC CAG AAA ATC TCA TTA GTA GAT GC-3´	5´-Primer NtCPIP1 für pUC-RNAi
D154	5´-GTC GAC ATT CAT TAC CAG TCT ACC ACA GC-3´	3´-Primer NtCPIP1 für pUC-RNAi
D172	5´-GGA TCC TCA CGC AAT GCG AGT GAA GAA G-3´	5´-Primer NtCPIP1 für RT-PCR
D184	5´-GGA TCC GGG AGC TCA AAT TCT TGG TGC AGA TG-3´	5´-Primer StSXD1 für pUC-RNAi
D185	5´-GTC GAC AAT GTG GTT CCA TGA TCT TTT GAA G-3´	3´-Primer StSXD1 für pUC-RNAi
D202	5´-ATGGCAGACGGTGAGGATATTCA-3´	5´-Primer Actin AC1 für RT-PCR
D203	5´-GCCTTTGCAATCCACATCTGTTG-3´	3´-Primer Actin AC2 für RT-PCR
D227	5´-GAA TTC TCT CGG AAT GCA AGT GAA GAA G-3´	5´-Pimer NtCPIP2a/bΔ11 für pAD-GAL4
D230	5´-GTC GAC TTA GTC AGC GCT CCT GCA CAG TAC-3´	3´-Primer NtCPIP2a für pAD-GAL4
D231	5´-GTC GAC TTA GTC AGA GTT CCT GCA CAG TAC-3´	3´ Primer NtCPIP2b für pAD-GAL4
D235	5´-AT CAT ATG AGT GAT ACA GTA GAT GCT GGG-3´	5´ Primer TVMV CP für pGBKT7
D236	5´-AT CAT ATG GCA GGT GAA ACG CTT GAC GCA GAC -3´	5´-Pimrer TuMV CP für pGBKT7
D237	5´- AT GTC GAC TTA CAC CCC CTT AAC ACC CAG AAG-3´	3´ Primer TVMV CP für pGBKT7
D238	5´-AT GTC GAC TCA TAA CCC CTG AAC GCC CAG C-3´	3´ Primer TuMV CP für pGBKT7
D239	5´-CAT ATG GCC GAA ACT CTT GAT GCA AGC G-3´	5´-Primer PVA CP für pGBKT7
D240	5´-GAA TTC GCC GAA ACT CTT GAT GCA AGC G-3´	5´-Primer PVA CP für pGBKT7
D261	5´-GAA TTC TCA CGC AAT GCG AGT GAA GAA G-3´	5´-Primer NtCPIP1Δ11N für pAD-GAL4
D262	5´-GAA TTC ATA TAC GGC GAT GAG GCG TTG-3´	5´-Primer NtCPIP1Δ65N für pAD-GAL4
D263	5´-GAA TTC ACT GGT GGT ACT GTA CGG ATT AGG-3´	5´-Primer NtCPIP1Δ115N für pAD-GAL4
D264	5´-GTC GAC TTA GTC AAC AGT CCT GCC CAG CAC-3´	3´-Primer NtCPIP1 für pAD-GAL4
D265	5´-GTC GAC ATG TCC TGG CTT AAC AAC ATC TGT G-3´	3´-Primer NtCPIP1Δ50C für pAD-GAL4
D266	5´-GTC GAC TGG CTT TTC ATC GAT TAC AAA AAT-3´	3´-Primer NtCPIP1Δ100C für pAD-GAL4
D278	5´-AGT TGC CGC TCC TCA AAA ACT CTA CAW TCC-3´	5´-Primer StSXD1 für pCR2.1
D279	5´-TTC TGC TAT ACT AGC AAT AAG ATT TTC CAT-3´	3´-Primer StSXD1 für pCR2.1
D280	5´-CGA ACT CCT CAT AGC GGG TAT C´-3´	fwd-Sequenzierprimer StSXD1
D281	5´-AAT CGC CGC GTC ACA GAG GGT-3	fwd-Sequenzierprimer StSXD1
D282	5´-GGT GCA ATT GGA GAT GTT GCT-3´	fwd-Sequenzierprimer StSXD1
D283	5´-CTG CAG TTG TGG GAA CGG AAG-3´	fwd-Sequenzierprimer StSXD1
D284	5´-TCG AGT AAC AAT TTC CGG CAT-3	rev-Sequenzierprimer StSXD1
D285	5´- AGC AAC ATC TCC AAT TGC ACC-3´	rev-Sequenzierprimer StSXD1

D286	5´-ACC CTC TGT GAC GCG GCG ATT-3´	rev-Sequenzierprimer StSXD1
D287	5´-G ATA CCC GCT ATG AGG AGT TCG-3´	rev-Sequenzierprimer StSXD1
D290	5´-GGG ATC CGG ACT CCT CAT AGC GGG TAT CAT TTT G-3´	5´-Primer StSXD1ΔTP für pQE11
D291	5´-GTC GAC TCA AAG GCC AGG AGG TTT GAG AAG TGA AG-3´	3´-Primer StSXD1ΔTP für pQE11
D292	5´-GGG ATC CCC ATG GAG AGC TTT TAT AGT GTT TCC GC-3´	5´-Pimrer StSXD1 für pQE11
D302	5´-GAA TTC AAG TTC GAT TCG CGT GAT GCG GAA GAT -3´	5´-Primer NtCPIP1Δ90N für pAD-GAL4
D303	5´-GTC GAC AAA CTT GAT CCT CAA ATT TCC TTT CTT C-3´	3´-Primer NtCPIP1Δ25C für pAD-GAL4
StSXD1-5´RACE	5´-CTC TGT GAC GCG GCG ATT GAA CTC CTG AGG-3´	5´-RACE Primer StSXD1
StSXD1-3´RACE	5´-GGA TTA AGG CGA CTT CCG GGA TTG AAT GAG-3´	3´-RACE Primer StSXD1
SMARTII	5´-AAG CAG TGG TAT CAA CGC AGA GTA CGC GGG-3´´	Primer Smart RACE-Kit, Clontech
3´-RACE CDS	5´-AAG CAG TGG TAT CAA CGC AGA GTA $C(T)_{30}N_{-1}N$-3´	Primer Smart RACE-Kit, Clontech
5´-RACE CDS	5´-$(T)_{25}$ $N_{-1}N$-3´	Primer Smart RACE-Kit, Clontech
UPM	5´-CTA ATA CGA CTC ACT ATA GGG C-3´	Universal-Primer, Erststrangsynthese
NUP	5´-AAG CAG TGG TAT CAA CGC AGA GT-3´	Nested Universal-Primer
Oligo-dT	5´-$(T)_{30}N_{-1}$-3´	Oligo-dT-Primer für Reverse Transkription

*fwd, “forward”; **rev, “reverse“; N_{-1} = A, G, oder C; N = A, C, G, oder T