

ANHANG

Tab. I: Di- und tetraploide Sorten und Zuchtstämme, Genbankakzessionen und Inzuchtlinien des Welschen Weidelgrases und vier Sorten des Deutschen Weidelgrases

Sorten, Akzession	Art	Ploidiestufe	Züchter	Herkunftsland	Anzahl der mit AFLPs untersuchten Genotypen (in zwei Bulks)
„Anca“	Lm	4x	Inst Cer & Indu Crops	RO	16
„Arina“	Lm	2x	Inst Cer & Indu Crops	RO	16
„Atalia“	Lm	2x	DLF	DK	16
„Aurora“	Lp	2x	IGER	GB	16
„Avance“	Lw	4x-	DLF	DK	16
„Baltimore“	Lm	2x	DLF	DK	16
„Bartissimo“	Lm	2x	Barenbrugg	NL	16
„Bartolini“	Lm	2x	Barenbrugg	NL	16
„Barverdi“	Lm	2x	Barenbrugg	NL	16
„Bellem“	Lm	2x	DvP	D	16
„Cavour“	Lm	2x	Carneau	F	16
„Danergo“	Lm	4x	DLF	DK	16
„Dasas“	Lm	2x	DLF	DK	16
„Domino“	Lm	4x	Prodana Seeds	F	16
„Fabio“	Lm	4x	Zelder	NL	16
„Fastyl“	Lm	2x	RAGT	F	16
„Fortyl“	Lm	2x	RAGT	F	16
„Gemini“	Lm	4x	Freudenberger	D	16
„Gisel“	Lm	4x	NPZ	D	16
„Gordo“	Lm	2x	Zelder	NL	16
GR161/89	Lm	2x	IPK	Korea	16
GR2581	Lw „Hanami Wase“	2x	IPK	Japan	16
GR2586/90	Lm „Merwester“	2x	IPK	B	16
GR2596/90	Lm Prego“	2x	IPK	DK	16
GR2639/92	Lm	2x	IPK	DDR	16
GR2797/92	Lm	2x	IPK	CSK	16
GR5440/80	Lm	2x	IPK	H	16
GR5441/80	Lm	2x	IPK	B	16
GR5448/91	Lm	2x	IPK	CRY	16
GR5451/84	Lm	2x	IPK	BGR	16
GR5452/84	Lm	2x	IPK	Lybien	16
GR5453/84	Lm	2x	IPK	Lybien	16
GR5958/97	Lm	2x	IPK	PL	16
GR6922/99	Lm	2x	IPK	E	16
GR6929/99	Lm	2x	IPK	E	16
GR6932/99	Lm	2x	IPK	E	16
GR6933/99	Lm	2x	IPK	E	16
GR6934/99	Lm	2x	IPK	E	16
GR6937/99	Lm	2x	IPK	E	16
GR6938/99	Lm	2x	IPK	E	16
„Jeanne“	Lm	4x	Barenbrugg	NL	16
„Jericho“	Lm	2x	Jouffray-Drillaud	F	16
„Kroto“	Lm	4x	.	PL	16
„Lema“	Lm	2x	NPZ	D	16
„Lental“	Lm	2x	Advanta	NL	16
Li9565	Lm	2x	DSV	D	16
„Ligrande“	Lm	2x	DSV	D	16
„Limulta“	Lm	2x	DSV	D	16
„Linn“	Lp	2x	.	USA	16
„Lipo“	Lm	4x	DSV	D	16
„Lipurus“	Lm	4x	DSV	D	16
„Manhattan“	Lp	2x	Rutgers-University	USA	16
„Meribel“	Lm	2x	IGER	GB	16
„Nadine“	Lm	2x	Carneau	F	16
„Nagahahikari“	Lm	4x	Snow Brand	Japan	16
„Oryx“	Lm	2x	FAL Zürich	CH	16
PC40400	Lm	2x	DSV	D	16
PC424a	Lm	2x	DSV	D	16
PC70108	Lm	2x	DSV	D	16
PC70207	Lm	2x	DSV	D	16

Tab. I: Forts.

Sorten, Akzession	Art	Ploidiestufe	Züchter	Herkunftsland	Anzahl der mit AFLPs untersuchten Genotypen (in zwei Bulks)
PC70302	Lm	2x	DSV	D	16
PC70311	Lm	2x	DSV	D	16
PC70404	Lm	4x	DSV	D	16
PC70416	Lm	4x	DSV	D	16
PC70809	Lm	4x	DSV	D	16
PC70814	Lm	4x	DSV	D	16
PC70816	Lm	4x	DSV	D	16
„Pennfine“	Lp	2x	Penn State University	USA	16
„Podium“	Lm	2x	Force	F	16
„Prestyl“	Lm	2x	RAGT	F	16
„Rangifer“	Lm	2x	FAL Zürich	CH	16
„Rustyl“	Lm	2x	RAGT	F	16
„Shoot“	Lw	2x	Force	F	16
„Sikem“	Lm	2x	Barenbrugg	NL	16
„Silor“	Lm	2x	Semunion	F	16
„Spark“	Lw	2x	Force	F	16
„Total“	Lm	2x	Cebeco	NL	16
„Trajan“	Lm	2x	RvP	B	16
„Tribune“	Lm	2x	IGER	GB	16
„Violin“	Lm	4x	.	.	16
„Waseaoba“	Lm	4x	Snow Brand	Japan	16
WV9RKK401	Lm	2x	DSV	D	16
„Zarastro“	Lm	2x	DLF	DK	16
„Zorro“	Lm	4x	DLF	DK	16

Inst Cer & Indu Crops – Institute Cereals & Industrial Crops

Tab. II: Modifizierte Mikrosatelliten-Protokolle

Bezeichnung der Mikrosatelliten	MgCl ₂	Denaturierung (min)	Annealing-Temperatur (°C)	Elongationszeit	Anzahl Zyklen	Endelongation (min)	Referenz
LPSSRH01A02	.	4	40	30 sec	10 + 20	5	Jones et al. 2001
LPSSRH01A07	.	4	52	30 sec	10 + 20	5	Jones et al. 2001
LPSSRH01A10	.	4	52	30 sec	10 + 20	5	Jones et al. 2001
LPSSRH01E10	.	4	40	30 sec	10 + 20	5	Jones et al. 2001
LPSSRH01H06	.	4	47	30 sec	10 + 20	5	Jones et al. 2001
LPSSRH02C11	.	4	40	30 sec	10 + 20	5	Jones et al. 2001
LPSSRK01A11	.	4	50	30 sec	10 + 20	5	Jones et al. 2001
M4-213	4	15	65	2 min	30	10	Kubik et al. 1999
M15-185	2	15	60	2 min	30	10	Kubik et al. 1999
M16-B	2	15	62	2 min	30	10	Kubik et al. 1999
M4-136	2	15	60	2 min	30	10	Kubik et al. 1999
M2-148	2	15	60	2 min	30	10	Kubik et al. 1999
M12-52	2	15	60	2 min	30	10	Kubik et al. 1999
LP008	.	15	54	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
LP020	3	15	62	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
LP165	3	15	58	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
LP194	3	15	62	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
LP204	-	15	54	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
M1-44	3	15	57	1 sec	30	.	Kubik et al. 2001
M8-44	3	15	52	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
M10-138	3	15	57	5 sec	30	.	Kubik et al. 2001
PRE	.	15	57	2 min	35	10	Kubik et al. 2001
PRG	3	15	57	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
PR3	3	15	57	2 min	30	.	Kubik et al. 2001
PR08	4	15	69	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
PR10	.	15	57	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
PR14	3	15	56	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
PR24	3	15	58	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
PR25	3	15	61	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
PR37	3	15	62	2 min	30	10	Kubik et al. 2001
PR39	.	15	60	35 sec	36	10	Kubik et al. 2001

10 + 20 – touch-down Bedingungen in Abhängigkeit von der Primer-Bindungstemperatur der Primerpaare: 10 Zyklen für 60 sec bei 94°C, 30 sec bei beispielsweise 65°C, 60 sec bei 72°C bei einer Abnahme der Primer-Bindungstemperatur von 1°C je Zyklus, und nachfolgend 20 Zyklen mit 30 sec bei 94°C, 30 sec bei 55°C und 30 sec bei 72°C

Tab. III: Primersequenzen der verwendeten STSs, genomische Weizenmikrosatelliten, genomische und EST-abgeleitete Mikrosatelliten von *Lolium*.

Marker-klasse	Locus	Forward Primer (5'-3')	Reverse Primer (5'-3')
STS	ADH	GCG TCA AGA TCC TCT TCA CC	CRC CCT CTC CAA CAC TCT CY
STS	MZE	TCA AAG GTC ATT GCA TGT	CNG NGT TGA TGA TGT CGA TGA A
STS	OSW	TTC TGC ATC CAC AAC ATC TCC TA	CTG ACG TCC ATG CCG TTG ACG AT
STS	LP01	CAC CAA GCC GAC ATT CCA C	CAC CGT GCG AGC AAA GAA AG
STS	PRO	TAC CAA GTA CAT GGT CAT CC	ATS GGC TCG TCG TAG ATG C
STS	OSE	CGT CGT CCC CGG CGG CAC CG	TTG GAC TCG TCG ATG TCG AT
STS	SCF	GGC TCA AGT CCA CCG CCA GC	AAC ATG GGC AGC TTC CAC AT
STS	OSRB	GAC AGC CGC CTC GAC TGG GG	GAT CTC CTG CTT CAG GTT CC
STS	ADP	CCT CCG TGA ACA ATT TCC TG	TCC AAT ACG AGC ATT CTT GT
STS	PHOS	AAC CCC AAG GAC TAY CTC AC	AMC CRA TGA TGA TGT ACT CR
STS	PGLU	CYG AAR GTC AAA GCC AAA GC	AAK CCA CTR AAT ATG TTT TG
STS	PAL	AGC GGA TGG TGG AGG AGT AC	TTG CGA GCA TCA TGT AGG AG
STS	CAT	GAG CGT GGA AGC CTC GAG AC	CCA TGT GCC TGT AGT TGA GT
STS	SER	TGG GGT TTA TGT YCC TAC TC	GAS CCA TTC CAT GWG CAA AT
STS	ASP	GCC TGT GAG ATG GCT GTT GT	ATG GCT GTG AAT CCA CTG AT
STS	CAF	CGC TCA TGA ACC AGG ACA AC	GGG ATG CCG CCG TCA AGG AC
OKSSR	OK _{ssr} 01	TTG GTT ATG AGG AAG AGC CG	TGA CGT AAA CCT GTT GCC AG
OKSSR	OK _{ssr} 02	AAA ACG GCA ATG GTG AAC TC	CAT CGA ATC AAC AGC GAA GA
OKSSR	OK _{ssr} 03	CCG AAG TCG AGG ATG TCA TT	ACC AAA TTT GAT TGT GTG CC
OKSSR	OK _{ssr} 04	CAT GAG CGC TTG TTT TCG TA	TCC CCT CTT TTC TTA AGG GC
OKSSR	OK _{ssr} 05	CTG GCA AGA TCC TCA GGA AG	ACA TCA TCG GCC TAA CAA GC
OKSSR	OK _{ssr} 06	TCC AAC GTC TTC CCT TAA CC	GCA GGT CAG AGT GGC AGA TT
OKSSR	OK _{ssr} 07	GTA GGG AGC AGC TTC TCG TG	CTG TCT ACT TCA ACG CGC AG
OKSSR	OK _{ssr} 08	TCC TTC GTC TTG ACC TTG CT	GCA TTC TCC AGC TCC TGT TC
OKSSR	OK _{ssr} 09	CCA ACA CCA TCC TCT TCG AC	CGT CAT CTT GTT CAT CAG CC
OKSSR	OK _{ssr} 10	TCT TCA TGG CTG ACG ACT TG	TCA AAA ACC CAA AAC CCA AA
OKSSR	OK _{ssr} 11	GTT CCG ACT CTT GCT TGG AG	GCC AGG AAC TTC ACC CTG TA
OKSSR	OK _{ssr} 12	CGA ATG CCA ATT CAG AAG GT	TTC GAA TCG GAA ATA GGA CG
OKSSR	OK _{ssr} 13	CGT CCT ATC CGA GGA ATG AA	GTT CAG TTG GCG AGA AAA GC
OKSSR	OK _{ssr} 14	CGA GGC CTA GAT CTC AAA CG	AAT GGC AAA GCA CAA CAA AA
OKSSR	OK _{ssr} 15	AAA AAG CCG TTT CTT TCC G	AAG GGA AGG GAC GTG GAA TA
OKSSR	OK _{ssr} 16	ACT CGC CAT CTG GTA CGT G	CAC ACG AAA CCC ACA GAC AG
OKSSR	OK _{ssr} 17	GGA CTT CAC GCA GAA GCA CT	GAT GCA GAG AAG CAG AAG CA
OKSSR	OK _{ssr} 18	AAA TTC CCC AAT CCA TCT CC	CGT CTC GAC GGA CTT CTT GT
OKSSR	OK _{ssr} 19	GGC ATA CAT TGC CAT CCT CT	GGA CGA GGA CAC GAC GAC
OKSSR	OK _{ssr} 20	CTC TCT TCT TCC CCA CTG GA	CCT GGA AGA GCA GAC CAA AC
OKSSR	OK _{ssr} 21	GGC TGG TAC CTG TTT ACG GA	ACA CCC AGC CTC TGC ATA AC
OKSSR	OK _{ssr} 22	GTT ATG CAG AGG CTG GGT GT	GCC TGC TAT TCT GCT TGG AC
OKSSR	OK _{ssr} 23	ACA AGT TCA TCC CCT CCC TC	AGG CTT TGT ACG ACC AGC AG
OKSSR	OK _{ssr} 24	TCA AGA CAA GAT GGC GTC CT	CTT GCC ATA CCA GGT GCT CT
OKSSR	OK _{ssr} 25	CGT AGC TCC TCC ATC TCA CC	GTG AGC GTT CTT GGG ATC AT
OKSSR	OK _{ssr} 26	TGT GAG GTG TTT GAT TGG AGA	CAA GGC CCA TAC ACA CAC AC
OKSSR	OK _{ssr} 27	CCA CTC CAT CAT CAT CCA CA	CAG TCG TGG AGG ATC CAC TT
OKSSR	OK _{ssr} 28	GGG AGA GGT ACG AGA GGG AG	GCA AA GGG TAC ACA TGC AGA
OKSSR	OK _{ssr} 29	TAC TTG AAT GAT CCC GTG GC	ACC TGG AAG CCC TTG AAC TT
OKSSR	OK _{ssr} 30	ATC CAA AGA ATT CGG CAC G	GTG AGG AGG GCA GTA GGT GA
OKSSR	OK _{ssr} 31	AAG GTG GAC ATG ACA GAG GG	TGC TAC AGG AAA ACT AGT GCC A
OKSSR	OK _{ssr} 32	CAT TAC CAT AGA GCT GGG GC	TAC ACT CCA GGT TTC CCG TC
OKSSR	OK _{ssr} 33	GGA GAA GAA CAT TCG GTG GA	GGT CGT ACA GGA TAG GGC AA
OKSSR	OK _{ssr} 34	GGC GCC TAT GAG ACC TAC AA	GAT CAG GCT TTG TAG CCA CC
OKSSR	OK _{ssr} 35	CCT CGT CGT CAA CAA GGA CT	GAG GAG CTG ATG ACG GTG AC
OKSSR	OK _{ssr} 36	CAA ACC GAG CTA CCA GAT CC	GTA CCC CTT CTC CAG CAG C
OKSSR	OK _{ssr} 37	CTT CGA GGA CAC CAA CCT GT	GCA TAA CGA ATT TGG CTG GT
OKSSR	OK _{ssr} 38	GTC GAG GCT GGG GAA GTA T	GCC ATG AGG CTC TAC CAC AG
OKSSR	OK _{ssr} 39	GCG GAT ATG GGA GGT GGA	ATT CAC GGC CTC TTC TTC AA
OKSSR	OK _{ssr} 40	AGC AAC CTA CGA CCA GGA GA	CTC CCA TTG TGA ACT TCC GT
OKSSR	OK _{ssr} 42	CTC GGG TCT CTC GCT CAT AC	GAT GGT GTT CTT CAG CGT CA
OKSSR	OK _{ssr} 43	CAA CGA AGC GAT GAA GAA CA	ATC CAC TTC ATC AGG ATG GC
OKSSR	OK _{ssr} 44	GTA CGA GGA GGT GAG AGC CA	CAC CAT GTA GCC TCC GAT CT
OKSSR	OK _{ssr} 45	TCT CCA GAT GTT GAG GGA GG	TGA ATA GGC GGT ACT GGT TG
OKSSR	OK _{ssr} 46	CTC ATC TGC AAC CAA TTC CC	GGA CTT CTT GCC CTT CTT CC
OKSSR	OK _{ssr} 47	CCA GAC CAC AGA CGT ACT CG	TGA AGA AAA GGT CCT CGT CG
OKSSR	OK _{ssr} 48	CAA ATT CGT CAC CAG CTT CA	GGA GAG TTG GAC GCG TAG AC

Tab. III: Forts.

Marker-klasse	Locus	Forward Primer (5'-3')	Reverse Primer (5'-3')
OKSSR	OKssr49	AGA ATC CCA CCC ACC CTT T	ACC GAA GAA GTC GCA GAC AC
OKSSR	OKssr50	AGA ATC CCA CCC ACC CTT T	GCC GCT ACT CTG GTT TTC AC
OKSSR	OKssr51	CCT CTT TTC ATC TCG CTT CG	CAA CTC CCA GAT CTC CCT CA
OKSSR	OKssr52	CAG CAA AGC TGG ACA CGT TA	CCG AGT CTA GGT ACG GAT GC
OKSSR	OKssr53	GTC GGG TGT CTT CAT CGA GT	CGT GGT TCT CCG AAA GAT GT
OKSSR	OKssr54	CAA ACC GAG CTA CCA GAT CC	GTA CCC CTT CTC CAG CAG C
OKSSR	OKssr55	GTA CAT CGC GTC GTG GCT	TCT ATG ACG TAC TGC GTG CC
OKSSR	OKssr57	ATC GGC CAC ATC CTC AAG TA	CAA TGG AAT TAA CGG AAG CG
OKSSR	OKssr58	GCA TAC CGT TCG TCG GAG TA	TAG GGT ACC GCA TGA ACC TC
OKSSR	OKssr59	ATG TCC ATG GCG TCC TCC T	GTG TCC CCC TCG TAC TTC AC
OKSSR	OKssr60	GAC CCT GAC CAA AAC AGA CC	ATC GCA TTT CGC TAC GTT CT
TGSSR	Xgwm060	TGT CCT ACA CGG ACC ACG T	GCA TTG ACA GAT GCA CAC G
TGSSR	Xgwm095	GAT CAA ACA CAC ACC CCT CC	AAT GCA AAG TGA AAA ACC CG
TGSSR	Xgwm135	TGT CAA CAT CGT TTT GAA AAG G	ACA CTG TCA ACC TGG CAA TG
TGSSR	Xgwm136	GAC AGC ACC TTG CCC TTT G	CAT CGG CAA CAT GCT CAT C
TGSSR	Xgwm154	TCA CAG AGA GAG AGG GAG GG	ATG TGT ACA TGT TGC CTG CA
TGSSR	Xgwm165	TGC AGT GGT CAG ATG TTT CC	CTT TTC TTT CAG ATT GCG CC
TGSSR	Xgwm186	GCA GAG CCT GGT TCA AAA AG	CGC CTC TAG CGA GAG CTA TG
TGSSR	Xgwm294	GGA TTG GAG TTA AGA GAG AAC CG	GCA GAG TGA TCA ATG CCA GA
TGSSR	Xgwm312	ATC GCA TGA TGC ACG TAG AG	ACA TGC ATG CCT ACC TAA TGG
TGSSR	Xgwm334	AAT TTC AAA AAG GAG AGA GA	AAC ATG TGT TTT TAG CTA TC
TGSSR	Xgwm357	TAT GGT CAA AGT TGG ACC TCG	AGG CTG CAG CTC TTC TTC AG
TGSSR	Xgwm369	CTG CAG GCC ATG ATG ATG	ACC GTG GGT GTT GTG AGC
TGSSR	Xgwm391	ATA GCG AAG TCT CCC TAC TCC A	ATG TGC ATG TCG GAC GC
TGSSR	Xgwm397	TGT CAT GGA TTA TTT GGT CGG	CTG CAC TCT CGG TAT ACC AGC
TGSSR	Xgwm415	GAT CTC CCA TGT CCG CC	CGA CAG TCG TCA CTT GCC TA
TGSSR	Xgwm427	AAA CTT AGA ACT GTA ATT TCA GA	AGT GTG TTC ATT TGA CAG TT
TGSSR	Xgwm443	GGG TCT TGA TCC GGA ACT CT	CCA TGA TTT ATA AAT TCC ACC
TGSSR	Xgwm471	CGG CCC TAT CAT GGC TG	GCT TGC AAG TTC CAT TTT GC
TGSSR	Xgwm494	ATT GAA CAG GAA GAC ATC AGG G	TTC CTG GAG CTG TCT GGC
TGSSR	Xgwm601	ATC GAG GAC GAC ATG AAG GT	TTA AGT TGC TGC CAA TGT TCC
TGSSR	Xgwm636	CGG TAG TTT TTA GCA AAG AG	CCT TAC AGT TCT TGG CAG AA
LGSSR	LPSSRH01A02	AAA GAC CGC ATA CGA AGT	AAC CAA AGC CTC AAG ACA
LGSSR	LPSSRH01A07	TGG AGG GCT CGT GGA GAA GT	CGG TTC CCA CGC CTT GC
LGSSR	LPSSRH01A10	GAG GCA CCG GCC ATG GAG	AGG ACG AGC CAC TCA CTT G
LGSSR	LPSSRH01E10	CGC AGC TTA ATT TAG TC	GCT TTG AGT ATG TAA AGT T
LGSSR	LPSSRH01H06	ATT GAC TGG CTT CCG TGT T	CGC GAT TGC AGA TTT TTG
LGSSR	LPSSRH02C11	TGG AAT AAC GAT GAA AAG	CAT CAC GAA TTA ACA AGA G
LGSSR	LPSSRK01A11	CGG CCA CCC TTG ATA GAG	TCG TCA AGG ATC CGG AGA
LGSSR	M4-213	CAC CTC CCG CTG CAT GGC ATG	TAC AAC GAC ATG TCA AGG T
LGSSR	M15-185	GGT CTG GTA GAC ATG CCT AC	TAC CAG CAC AGG CAG GTT C
LGSSR	M16-B	TGC TGT GGC TCT TGT GAC	AGC CGA GGC TCA GCT CGA
LGSSR	M4-136	AGA GAC CAT CAC CAA GCC	TCT GGA AGA AGA TTT CCT TG
LGSSR	M2-148	GCA ACT TCT ATC GAG TTG	GAG GCT CGA TCT TCA CGG A
LGSSR	M12-52	CTA CAA TGC ATT CGT GCA	TAG AGG CAC CCG CGC CCT
LGSSR	LP008	TGA CTT CTC TCG ATC CT	ATG TGA CTA CAA AAC CA
LGSSR	LP020	ACC GCT GTG CTA AAT CTG	ATG CGC TGC TGT CTG CCC T
LGSSR	LP165	CCA TCA CCT CCA CTA T	AGC TCG CAG TCT GTT G
LGSSR	LP194	GCG TAA GAG AGA GGG CGA T	ACG TAT GTC CAA CAG GT
LGSSR	LP204	GAG CTT CTC TCG ATC CT	AGT GGA TGT GAC TAC A
LGSSR	M144	CAG AAG GAG GTC GTC GA	CTG AAA CCT AGG CTA TCT GAG
LGSSR	M844	TAG CTT TCT ATG CAA AGC T	CAC TTC ACT TTT CTT GCA
LGSSR	M10138	TAG AGG ATC AGT TGC ATC	TAG TTC CGA GTT AGC TGA
LGSSR	PRE	CAT TCA TCC ACG TTA GAC	GTT AGG TTC GTC TGC AT
LGSSR	PRG	GCC GAG TGT CAT CAA GGT	CTT TTT CGC CTT CGT A
LGSSR	PR3	GTA TAG TAC CCA TTC CGT	GCC GCC CTG CCA TGC TG
LGSSR	PR08	AGG GTT CGT CTG CAT TC	GCC GTC GCA CCC CTG
LGSSR	PR10	CTT CTA ATC CCT CGC CT	TGC CGA GTG TCA TCA AGG T
LGSSR	PR14	CCT TTT CGC CTT CGT A	CAC CAA CAT TGC CGA GTG
LGSSR	PR24	TGC TGT GAT GCT GAA TG	GTA TAG TAC CCA TTC CGT TGT
LGSSR	PR25	AGG GTT CGT CTG CAT TC	CCT GCA TAC ATT CAT CCA
LGSSR	PR37	TCT GCA TTC GTT GTC TCA CTG	GAG CCG TCG CAC CCC TG
LGSSR	PR39	CAT TCA TCC ACG TTA GAC	CTT CCA CGA CTG CTT C

STS – sequence tagged sites, OKSSR – von *Lolium*-ESTs abgeleitete Mikrosatelliten, LGSSR - genomische *Lolium*-Mikrosatelliten, TGSSR - genomische *Weizen*-Mikrosatelliten

Tab. IV: Mittelwerte und Standardabweichungen morphologischer Merkmale von überlebenden Einzelpflanzen von Sorten und Inzuchtlinien, die mit Mikrosatelliten und /oder AFLPs untersucht worden waren

Sorte / Inzuchtlinie	n	Merkmal	Bestockung	Umfang	Wuchsform	Wuchshöhe	Blattfarbe	F.-länge	F.-breite	Ährenlänge
,Avance'	14	Mittelwert	2,93	10,64	7,43	39,64	7,57	15,29	6,64	16,79
		Std Dev	0,83	3,30	0,51	9,74	1,02	5,50	2,27	4,41
,Baltimore'	13	Mittelwert	4,54	16,92	7,38	59,15	5,46	15,54	7,69	20,46
		Std Dev	1,66	6,30	0,77	12,70	1,13	3,67	1,03	2,93
,Dasas'	18	Mittelwert	2,72	11,72	7,89	53,28	4,94	12,11	5,39	19,78
		Std Dev	0,67	2,54	0,76	10,19	0,87	4,13	1,14	2,56
,Fastyl'	17	Mittelwert	3,06	10,29	8,35	54,00	6,06	14,00	6,76	22,47
		Std Dev	0,97	3,93	0,86	16,62	1,14	4,54	1,89	4,02
,Rustyl'	17	Mittelwert	2,88	10,88	7,59	53,41	6,18	10,82	5,53	20,71
		Std Dev	1,32	4,77	0,87	22,66	1,01	3,64	1,42	3,46
30	6	Mittelwert	5,67	18,33	6,33	45,33	2,33	12,67	4,83	14,00
		Std Dev	0,82	3,88	0,52	6,19	1,63	3,08	0,98	2,19
64	5	Mittelwert	4,40	12,00	7,40	54,20	5,60	7,20	3,80	14,60
		Std Dev	1,14	1,87	1,52	14,20	1,34	3,70	1,48	2,88
116	8	Mittelwert	5,38	13,13	7,00	64,00	5,88	12,63	5,50	17,88
		Std Dev	0,74	1,96	0,53	5,93	0,99	2,77	0,93	3,18
221	6	Mittelwert	4,17	11,83	7,67	56,83	4,33	13,00	5,17	19,00
		Std Dev	0,98	2,48	0,52	11,75	1,51	3,90	1,17	4,15
286	5	Mittelwert	3,60	11,00	8,00	56,40	6,20	11,20	4,80	15,80
		Std Dev	0,89	2,35	1,00	8,32	1,30	5,17	1,92	2,59
398	3	Mittelwert	4,00	10,33	9,00	53,00	2,67	11,67	6,67	14,67
		Std Dev	0,00	1,53	0,00	2,65	2,08	2,08	1,53	3,51
423	4	Mittelwert	3,50	9,50	7,25	42,25	2,00	11,75	5,00	16,75
		Std Dev	1,29	3,87	0,50	5,91	0,82	4,27	0,82	0,96
1063	7	Mittelwert	4,14	12,43	7,57	74,71	4,29	15,14	5,86	21,86
		Std Dev	0,69	1,62	0,98	8,86	1,50	4,98	1,07	4,98
1073	5	Mittelwert	4,80	12,60	7,60	53,60	4,80	16,40	6,60	20,40
		Std Dev	1,10	4,10	0,89	13,94	0,45	1,14	0,89	3,58
1304	8	Mittelwert	4,38	12,25	8,13	58,00	4,25	9,75	4,00	16,00
		Std Dev	1,06	3,15	0,35	7,43	2,05	1,83	0,76	2,33

F. – Fahnenblatt

Tab. V: Anzahl an Beobachtungen (n), Mittelwerten der Eltern und Kreuzungen von zwei Orten, Differenz zwischen Eltern und Kreuzungen in Hohenthurm (HT) und Thüle (TH), Standardabweichung (Std Dev), Minimal- und Maximalwerte von Merkmalen der Eltern und Kreuzungen

Merkmal		n	Mittelwert	Std Dev	Differenz	Minimum	Maximum
Bestockung	Eltern	168	6,3	1,23	.	3,0	9,0
	Kreuzung (HT)	84	5,5	0,74	-0,9	3,4	7,2
	Kreuzungen (TH)	76	5,9	0,57	-0,5	4,6	7,5
Umfang	Eltern	168	20,3	5,23	.	7,0	41,0
	Kreuzungen (HT)	84	18,2	2,63	-2,0	11,4	24,1
	Kreuzungen (TH)	76	19,1	2,69	-1,1	12,8	24,8
Wuchsform	Eltern	168	6,7	1,00	.	5,0	9,0
	Kreuzungen (HT)	84	6,6	0,81	-0,1	4,5	8,9
	Kreuzungen (TH)	76	7,2	0,56	0,5	5,7	8,4
Wuchshöhe	Eltern	168	50,4	9,46	.	30,0	77,0
	Kreuzungen (HT)	84	101,9	10,63	51,3	72,5	119,0
	Kreuzungen (TH)	76	113,8	7,00	63,2	97,8	131,0
Fahnenblattlänge	Eltern	168	15,5	4,42	.	3,0	33,0
	Kreuzungen (HT)	84	19,0	2,04	3,5	13,6	24,1
	Kreuzungen (TH)	76	21,6	2,74	6,1	15,7	27,3
Fahnenblattbreite	Eltern	168	6,9	1,55	.	3,0	10,0
	Kreuzungen (HT)	84	8,4	0,78	1,5	6,5	10,8
	Kreuzungen (TH)	76	8,4	0,92	1,5	6,2	10,8
Ährenlänge	Eltern	168	21,4	5,73	.	8,0	37,0
	Kreuzungen (HT)	84	26,3	3,04	4,9	19,1	37,0
	Kreuzungen (TH)	76	27,3	2,76	5,9	22,4	39,8

Tab. VI: Heterosis der Merkmale der 98-er und 99-er Topcross-Nachkommen

Merkmal		n	Mittelwert	Std Dev	Minimalwert	Maximalwert	Mittelwertdifferenz
Bestockung	Inzuchtlinie	207	5,18	0,82	3,3	7,6	.
	Topcross	207	5,63	0,50	4,4	7,3	0,45
Umfang	Inzuchtlinie	207	9,85	2,22	4,9	16,0	.
	Topcross	207	16,69	2,79	11,3	27,4	6,84
Wuchsform	Inzuchtlinie	199	4,60	1,39	1,8	8,1	.
	Topcross	199	6,38	0,60	4,0	8,8	1,78
Wuchshöhe	Inzuchtlinie	207	63,90	8,53	39,7	95,8	.
	Topcross	207	86,71	13,6	53,6	122,5	22,81
Ährenlänge	Inzuchtlinie	162	20,10	3,74	7,8	29,6	.
	Topcross	158	24,14	1,95	17,0	29,3	24,04

Inzuchtlinie – Mittelwerte der Inzuchtlinien; Topcross – Mittelwerte der Topcrosse

Tab. VII: Ergebnisse des Rosttest von den sieben Inzuchtlinien des Deutschen Weidelgrases

Schale-Nr. 20 a+b				Schale-Nr. 21 a+b				Schale-Nr. 22 a+b			
Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)		Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)		Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)	
1	S05-11	0c	0c	1	S10-18	0c	2	1	S16-32	0c	0c
2	S05-12	0c	0c	2	S10-19	0c	1	2	S16-33	0c	0c
3	S05-13	0c	0c	3	S10-20	2	2	3	S16-34	0c	0c
4	S05-14	0c	0c	4	S10-21	0c	0c	4	S16-35	0c	0c
5	S05-15	0c	0c	5	S10-22	0c	0c	5	S16-36	0c	0c
6	S05-16	0c	0c	6	S10-23	1	0c	6	S16-37	0c	0c
7	S05-17	0c	0c	7	S10-24	0c	2	7	S16-38	0c	0c
8	S05-18	0c	0c	8	S10-25	2	2	8	S16-39	0c	0c
9	S05-19	0c	0c	9	S10-26	0c	0c	9	S26-11	0c	0c
10	Standard	3	3	10	Standard	2	3	10	Standard	2	3
11	S05-20	0c	0c	11	S10-27	1	1	11	S26-12	0c	0c
12	S05-21	0c	0c	12	S10-28	1	1	12	S26-13	0c	0c
13	S05-22	0c	0c	13	S10-29	3	3	13	S26-14	0c	0c
14	S05-23	0c	0c	14	S10-30	1	2	14	S26-15	0c	0c
15	S05-24	0c	0c	15	S10-31	0c	2	15	S26-16	0c	0c
16	S05-25	0c	0c	16	S10-32	1	2	16	S26-17	0c	0c
17	S05-26	0c	0c	17	S10-33	0c	2	17	S26-18	0c	0c
18	S05-27	0c	0c	18	S10-34	0c	1	18	S26-19	0c	0c
19	S05-28	0c	0c	19	S10-35	0c	2	19	S26-20	0c	0c
20	Standard	2	3	20	Standard	3	3	20	Standard	3	3
21	S05-29	0c	0c	21	S10-36	0c	0c	21	.	.	.
22	S05-30	0c	0c	22	S10-37	0c	0c	22	.	.	.
23	S05-31	0c	0c	23	S10-38	1	0c	23	.	.	.
24	S05-32	0c	0c	24	S10-39	0c	.	24	.	.	.
25	S05-33	0c	0c	25	S12-11	0c	1	25	.	.	.
26	S05-34	0c	0c	26	S12-12	0c	0c	26	S26-21	0c	0c
27	S05-35	0c	0c	27	S12-13	0c	1	27	S26-22	0c	0c
28	S05-02	0c	0c	28	S12-14	0c	0c	28	S26-23	0c	0c
29	S05-01	0c	0c	29	S12-15	0c	0c	29	S26-24	0c	0c
30	Standard	3	2	30	Standard	3	3	30	Standard	3	3
31	S05-07	0c	0c	31	S12-16	0c	0c	31	S26-25	0c	0c
32	S05-10	0c	0c	32	S12-17	0c	0c	32	S26-26	0c	0c
33	S05	0c	1	33	S12-18	0c	0c	33	S26-27	0c	0c
34	S08	1	0c	34	S12-19	0c	1	34	S26-28	0c	0c
35	S10	1	1	35	S12-20	0c	0c	35	S26-29	0c	0c
36	S12	0c	0c	36	S12-21	0c	0c	36	S26-30	0c	0c
37	S16	0c	0c	37	S12-22	0c	0c	37	S26-31	0c	0c
38	S26	0c	0c	38	S12-23	0c	0c	38	S26-32	0c	0c
39	S45	1	0c	39	S12-24	0c	0c	39	S26-33	0c	0c
40	Standard	3	3	40	Standard	2	3	40	Standard	3	3
41	S08-11	0c	0c	41	S12-25	0c	0c	41	.	.	.
42	S08-12	0c	0c	42	S12-26	0c	0c	42	S45-11	0c	0c
43	S08-13	0c	0c	43	S12-27	0c	0c	43	S45-12	0c	0c
44	S08-14	0c	0c	44	S12-28	0c	0c	44	S45-13	0c	0c
45	S08-15	0c	0c	45	S12-29	0c	0c	45	S45-14	0c	0c
46	S08-16	0c	0c	46	S12-30	0c	0c	46	S45-15	0c	0c

Tab. VII: Forts.

Schale-Nr. 20 a+b				Schale-Nr. 21 a+b				Schale-Nr. 22 a+b			
Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)		Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)		Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)	
47	S08-17	0c	0c	47	S12-31	0c	0c	47	S45-16	0c	0c
48	S08-18	0c	0c	48	S12-32	0c	0c	48	S45-17	0c	0c
49	S08-19	0c	0c	49	S12-33	0c	0c	49	S45-18	0c	0c
50	Standard	3	2	50	Standard	2	3	50	Standard	3	3
51	S08-20	0c	0c	51	S12-34	0c	1	51	S45-19	vg	0c
52	S08-21	0c	0c	52	S12-35	0c	0c	52	S45-20	0c	0c
53	S08-22	0c	0c	53	S12-36	0c	0c	53	S45-21	0c	0c
54	S08-23	0c	0c	54	S12-37	0c	0c	54	S45-22	0c	0c
55	S08-24	0c	0c	55	S12-38	0c	0c	55	S45-24	0c	0c
56	S08-25	0c	0c	56	S12-39	0c	0c	56	S45-25	0c	0c
57	S08-26	0c	0c	57	S16-11	0c	0c	57	S45-26	0c	0c
58	S08-27	0c	0c	58	S16-12	0c	0c	58	S45-28	0c	0c
59	S08-28	0c	0c	59	S16-13	0c	0c	59	S45-29	0c	0c
60	Standard	3	3	60	Standard	3	3	60	Standard	3	3
61	S08-29	0c	0c	61	S16-14	0c	0c	61	S45-30	0c	0c
62	S08-30	0c	0c	62	S16-15	0c	0c	62	S45-31	0c	0c
63	S08-31	0c	0c	63	S16-16	0c	0c	63	S45-32	0c	0c
64	S08-32	0c	0c	64	S16-17	0c	0c	64	S45-33	0c	0c
65	S08-33	0c	0c	65	S16-18	0c	0c	65	S45-34	0c	0c
66	S08-34	0c	0c	66	S16-19	0c	0c	66	S45-35	0c	0c
67	S08-35	0c	0c	67	S16-20	0c	0c	67	S45-36	0c	0c
68	S08-36	0c	0c	68	S16-21	0c	0c	68	S45-37	0c	0c
69	S08-37	0c	0c	69	S16-22	0c	0c	69	S45-38	0c	0c
70	Standard	3	3	70	Standard	2	2	70	Standard	3	3
71	S08-38	0c	0c	71	S16-23	0c	0c	71	S45-39	0c	0c
72	S08-39	0c	0c	72	S16-24	0c	0c	72	S45-40	0c	0c
73	S10-11	0c	0c	73	S16-25	0c	0c	73	S45-72	0c	0c
74	S10-12	1	1	74	S16-26	0c	0c	74	.	.	.
75	S10-13	1	0c	75	S16-27	0c	0c	75	.	.	.
76	S10-14	0c	1	76	S16-28	0c	0c	76	.	.	.
77	S10-15	0c	0c	77	S16-29	0c	0c	77	.	.	.
78	S10-16	0c	0c	78	S16-30	0c	0c	78	.	.	.
79	S10-17	0c	1	79	S16-31	0c	0c	79	.	.	.
80	Standard	3	3	80	Standard	2	1	80	Standard	3	3

Boniturnoten: 0c – keine Pusteln und Sporen (resistent), 1 und 2 – geringe Sporulation (partielle Resistenz), 3 – starke Sporulation (anfällig), vg – vergilbtes Blatt, nicht auswertbar

Tab. VIII: Verhalten der Kartierungspopulation gegenüber Kronenrost im Blattstückentest
 Boniturnoten: 0c – keine Pusteln und Sporen (resistent), 1 und 2 – geringe Sporulation (partielle Resistenz),
 3 – starke Sporulation (anfällig)

Schale S45 a+b			
Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)	
1	S45-22	0c	0c
2	S45-39	0c	0c
3	S45-40	0c	0c
4	S45-41	0c	0c
5	S45-43	.	.
6	S45-44	0c	0c
7	S45-45	0c	0c
8	S45-46	0c	0c
9	S45-47	0c	0c
10	S45-48	0c	0c
11	S45-49	0c	0c
12	S45-50	.	.
13	S45-51	0c	0c
14	Standard	3	3
15	S45-52	0c	0c
16	S45-53	0c	0c
17	S45-56	0c	0c
18	S45-58	0c	0c
19	S45-59	0c	0c
20	S45-60	.	.
21	S45-61	.	0c
22	S45-62	0c	0c
23	S45-63	.	1
24	Standard	3	3
25	S45-64	.	0c
26	S45-65	0c	0c
27	S45-66	0c	0c
28	S45-69	0c	0c
29	S45-74	vg	0c
30	S45-81	0c	0c
31	S45-84	0c	0c
32	S45-90	vg	vg
33	S45-101	0c	0c
34	S45-107	0c	0c
35	S45-109	0c	0c
36	S45-110	0c	0c
37	S45-111	.	0c
38	S45-116	0c	0c
39	S45-117	0c	0c
40	Standard	3	3
41	S45-118	0c	0c
42	S45-119	3	3
43	S45-120	3	3
44	S45-121	0c	0c
45	S45-122	0c	0c
46	S45-123	0c	0c

Schale S45 a+b			
Lfd. Nr.	Pfl.-Nr.	Bonitur (a+b)	
47	S45-124	1	0c
48	S45-125	.	.
49	S45-127	0c	0c
50	Standard	3	3
51	S45-129	.	.
52	S45-130	.	0c
53	S45-131	2	0c
54	S45-135	0c	0c
55	S45-136	0c	0c
56	S45-137	0c	.
57	S45-138	0c	0c
58	S45-139	0c	.
59	S45-142	0c	0c
60	Standard	3	3
61	S45-144	0c	0c
62	S45-145	1	0c
63	S45-146	0c	0c
64	S45-147	0c	0c
65	S45-149	0c	1
66	S45-150	0c	0c
67	S45-152	.	.
68	S45-153	0c	0c
69	S45-155	0c	0c
70	Standard	3	3
71	S45-156	0c	0c
72	S45-157	0c	.
73	S45-158	0c	.
74	S45-159	0c	0c
75	S45-161	0c	0c
76	S45-162	0c	0c
77	S45-163	.	0c
78	S45-165	1	1
79	S45-166	0c	0c
80	Standard	3	3
81	S45-167	0c	0c
82	S45-168	.	0c
83	S45-169	1	.
84	S45-170	.	.
85	S45-171	1	0c
86	S45-173	0c	0c
87	S45-174	0c	0c
88	S45-175	0c	0c
89	S45-177	0c	0c
90	Standard	3	0c
91	S45-178	.	.
.	.	.	.

Tab. IX: Beispiele für mögliche Assoziationen molekularer Daten mit phänotypischen Merkmalsausprägungen

Merkmal	Fragment	Gruppe 1			Gruppe 2			t-Wert	Prob> t
		n	Mittelwert	Std Dev	n	Mittelwert	Std Dev		
Blattfarbe	P33M16-170	48	4,8	1,9	4	2,0	0,8	3,25	0,0020
	P33M70-206	9	2,6	1,3	43	5,0	1,6	-4,30	0,0000
	PR3-125	46	4,9	1,6	6	2,2	1,5	3,97	0,0002
Bestockung	P33M16-123	50	4,3	1,0	2	6,0	1,4	-2,31	0,0251
	P33M16-144	44	4,6	1,0	8	3,4	1,0	3,21	0,0023
	P40M54-211	46	4,3	1,0	6	5,3	0,8	-2,47	0,0171
	P44M75-086	41	4,2	1,0	11	5,2	1,0	-3,06	0,0036
	PR3-125	46	4,5	1,0	6	3,5	0,8	2,28	0,0268
Wuchsform	P33M16-123	50	7,7	0,9	2	6,5	0,7	1,8	0,0711
	P33M16-174	3	9,0	0,0	49	7,6	8,6	2,87	0,0061
	LPSSRH01A02-134	50	7,6	0,8	2	9,0	0,0	-2,25	0,0286
Umfang	P33M16-144	44	12,3	2,4	8	9,8	2,6	2,71	0,0091
	PR3-125	46	12,3	2,4	6	9,2	2,5	2,95	0,0048
Wuchshöhe	P35M73-088	33	62,0	11,8	19	51,9	9,9	3,14	0,0028
	P35M73-186	37	61,8	10,9	15	49,9	11,0	3,54	0,0009
	P35M73-199	16	51,0	9,4	36	61,6	11,8	-3,17	0,0026
	P44M75-138	21	51,8	10,9	31	62,8	10,8	-3,59	0,0007
	M1-44-147	41	56,1	10,0	11	15,7	66,7	-2,75	0,0082
	M1-44-150	38	61,6	10,3	14	49,4	12,4	3,59	0,0008
	PR3-125	46	60,0	12,0	6	48,0	7,2	2,33	0,0241
	PR3-150	23	65,0	11,6	29	53,0	9,7	4,07	0,0002
	PR08-131	28	63,4	11,7	24	52,5	9,8	3,62	0,0007
	PR08-123	26	52,9	10,6	26	63,8	11,1	-3,60	0,0007
	PR24-155	33	62,3	11,6	19	51,5	9,7	3,43	0,0012
	PR24-161	39	61,3	11,2	13	49,5	10,4	3,32	0,0017
	PR39-130	39	61,3	11,2	13	49,5	10,4	3,32	0,0017
Fahnenblattlänge	P33M70-219	26	9,7	3,2	26	14,7	3,4	-5,48	0,0000
	P44M75-158	25	10,0	3,5	27	14,2	3,6	-4,27	0,0001
	P44M75-228	34	13,4	4,1	18	9,8	3,1	3,31	0,0018
	M15-185-172	35	13,5	3,9	17	9,4	3,2	3,85	0,0003
	PR08-106	46	12,7	3,9	6	8,2	4,1	2,67	0,0103
	PR24-155	33	13,5	4,0	19	9,9	3,3	3,27	0,0019
Fahnenblattbreite	P33M70-219	26	4,5	1,4	26	5,8	1,1	-3,65	0,0006
	P33M70-447	34	4,8	1,4	18	5,9	0,9	-3,14	0,0028
	P35M73-185	24	4,5	1,3	28	5,8	1,2	-3,85	0,0003
	P40M67-098	18	6,1	1,2	34	4,7	1,2	4,01	0,0002
	P40M67-146	41	4,9	1,3	11	6,3	1,0	-3,20	0,0024
	P44M75-163	14	6,3	1,2	38	4,8	1,2	3,96	0,0002
	LPSSRH01E10-130	35	5,63	1,3	17	4,2	1,2	3,79	0,0004
	M15-190	25	5,9	1,1	27	4,5	1,3	4,00	0,0002
PR14-139	29	4,7	1,4	23	5,8	1,2	-3,28	0,0019	
Ährenlänge	P33M16-109	50	17,4	3,7	2	24,5	2,1	-2,67	0,0101
	P44M75-367	50	17,4	3,7	2	24,5	2,1	-2,67	0,0101
	P40M54-092	32	15,9	2,6	20	20,5	4,1	-4,95	0,0000

Gruppe 1 – fehlendes Fragment, Gruppe 2 – Fragment vorhanden, P..M.-... – AFLP-Fragment, M/PR/LPSSRH01 – Mikrosatelliten-Fragment.

Tab. X: Mikrosatelliten-haltige Sequenzen, abgeleitet aus öffentlichen Datenbanken

Name	ID	Mikrosatelliten-haltige Sequenzen	size	Produktgröße (bp)
OKssr01	embl:AF359513	(AT)3(AC)3ttagaat actgaaaaccccaaat gtcacagagta(T)5	55	230
OKssr02	embl:AF538351	(C)6(T)5	11	139
OKssr03	embl:LPPISO1A	(CA)3(TA)3cgaggcgt gagacat acaagct calgatgagat att caltcat gccg(TA)3gagag(GA)4tgct gaataagagtttgagatcgacacdt gtagag(GT)3	125	275
OKssr04	embl:AF538351	(CA)3a(GC)3acgt g(CA)5a(AC)4caagglagaagct gac(AT)3	59	191
OKssr05	embl:AF052222	(CA)3gtccaaaagctaaagtcag(AT)3tgttt cccaacct(AC)3	50	230
OKssr06	embl:AF472592	(CAC)4gcacagacagagcagttcccag(C)5gccggaaccggatggcaccaca(CGG)3agcagacggagacc accagcacaccagggaagcgggtggggctggcg(GC)3	123	266
OKssr07	embl:AF290457	(G)6tgtgc(TGGT)3	24	236
OKssr08	embl:AY014278	(GA)3ggllactcctt(CAC)3	26	166
OKssr09	embl:AF290446	(GC)3tg(GCC)4	20	212
OKssr10	embl:AF481763	(GC)4ggatgggagagatcacct act acat(ATAC)3	48	219
OKssr11	embl:AF325676	(GGT)4aaagggatagaaggtt aata(ATG)3	43	252
OKssr12	embl:AY061887	(T)7aat aact acacaagact aaaaagtt aaa(TC)4aagatttgcgaaaact atagctat ctactg(AT)5	83	223
OKssr13	embl:MTLPATP9F	(TA)4(G)5	14	208
OKssr14	embl:AF271362	(TG)3aacccaagttatctcctgt(GT)3at atttgatatt ggatt gctttgatata gaaa(TG)3	69	199
OKssr15	embl:AF159387	(CACG)3ccggccgcccggcactccatccaatcccacgg(GCCGT)3(CGT)3*cc(TCG)3	81	235
OKssr16	embl:AF321273	(GC)3acgaa(GCC)4(CGCCAA)3*cggggcat(GCC)7	67	189
OKssr17	embl:AY014277	(ACG)4	12	143
OKssr18	embl:AF356818	(CCA)5	15	270
OKssr19	embl:AF321855	(C)6	6	253
OKssr20	embl:AF035378	(GCCGTC)3	18	127
OKssr21	embl:AY014277	(T)5atttccagacttt gact cgagacat ataaagcgc(TG)3	46	227
OKssr22	embl:AY014277	(A)7g(TA)4tt aagc(A)5	28	251
OKssr23	embl:A31057	(CCG)4	12	245
OKssr24	embl:A31060	(TGG)3cgt gllcgcgcl gll cctgggca(GC)3	39	163
OKssr25	embl:AX463084	(GT)4caccggcgt gccgatacatcgctctggct cgt caagctgctcct g(GA)3	63	232
OKssr26	embl:AB016127	(A)6ttt gact dttt gctatgct cctct gttggct gctt ggtggat a(ATT)3t gaaattct gctatattccaag(GT)3	91	224
OKssr27	embl:AB010291	(CGG)3cgtcggcgt accgt ggcgcctat agccgccca accccgcccaaa(G)5tcaactcgacct(C)5	80	267
OKssr28	embl:AF033540	(TGC)4	12	186
OKssr29	embl:AF052221	(CGA)5	15	146
OKssr30	embl:AF310684	(CGC)3ctccgcgacacg(CGC)3gaca(GCC)5	49	167
OKssr31	embl:AF321855	(TAAA)4	16	279
OKssr32	embl:AF465470	(GGC)3	9	159
OKssr33	embl:AY061887	(A)6cttcggctagacactc(G)6	28	126
OKssr34	embl:LPE243504	(CCG)4	12	266
OKssr35	embl:AF472591	(C)5	5	225
OKssr36	embl:AY061889	(CGTC)3cac(AT)3agcatcgacatgacctcgccgagtcgtggct gccggagaca(CCG)3	73	276
OKssr37	embl:LTMRHIS3	(GC)3ctaagccatctcgacgt gaal ctgat cggga(G)5	43	164
OKssr38	embl:AF290447	(GA)3acatctgcgaca(G)5tccatcccgtccgcccagcagaagcggcgtt g(GC)3tccgcccgtgccgac accgcccgcagcagct gccgt acgc(GAA)3	118	247
OKssr39	embl:AF290453	(GC)4aaggcc(AG)3	20	160
OKssr40	embl:AF159387	(C)5tccccggcct cttggcccaaaal(C)5tttccgatct caggcccttca(G)5	61	279
OKssr42	embl:AF033540	(TCG)3	9	194
OKssr43	embl:AF033540	(ATC)3	9	273
OKssr44	embl:AF321865	(TCC)3	9	175
OKssr45	embl:AF321867	(GGC)3	9	170
OKssr46	embl:AF356820	(CT)3ccccgtcga(AG)4tccatggcgcoccaaggcagagaagaagccagcggagaagaagccccgt(GGA)3	84	254
OKssr47	embl:AF465466	(CAC)4	12	269
OKssr48	embl:AF465468	(CGG)3tggcgcagtcggtggacagccgg(TTC)3	41	267
OKssr49	embl:AF492836	(GGC)3tgt caggt g(GC)3gtgcgcgctcggccctgggtgctgctg(GTC)3	65	273
OKssr50	embl:AF492836	(CGC)3cggcgcgatggagtcagcgc(GT)3	39	148
OKssr51	embl:AY061887	(TTC)4	12	233
OKssr52	embl:AY061887	(AT)3cggatgacctat gaaggcctcggaaagctcggg(AGA)3	50	185
OKssr53	embl:AY061887	(CA)4cgtacgcg(CA)4cgtgcgcaaa(C)5gaaaactagaaacctctcacgt agcctagctctgctt gtaag(A)6ccaggtccaacctagttt cgaacccaaaal(T)5gaagatalltagtaagata(T)5gaaaalaaaaccg(C)5gg gaattg(A)5	184	266
OKssr54	embl:AY061888	(CGTC)3cac(AT)3agcatcgacatgacctcgccgagtcgtggct gccggagaca(CCG)3	73	276
OKssr55	embl:AY061888	(GCT)3	9	276
OKssr57	embl:AY061889	(CGC)3	9	263
OKssr58	embl:AY061889	(GT)3tt agtcaacatt aatggagtt calgatgact cttgctt gaaaga(TAC)3tgtaacctcgtagaactg aatgaaagat gggagctgtcag(CT)3gcacat gcaaatgtcgtact cat acccttcgtcagagatcctcgcga(CG)3ccggggccgaaatttcgcc(GT)3	191	262
OKssr59	embl:LIT131339	(AGC)3	9	158
OKssr60	embl:LPITS	(GGC)3	9	279

ID – Erkennungsname der gesamten Sequenz, die die Mikrosatelliten-haltige Sequenz enthält, in der Datenbank, size – Anzahl der Nucleotide (der Mikrosatelliten-haltigen Sequenz), Produktgröße – berechnete und amplifizierte Fragmentgröße (bp) mit forward- und reverse-Primer

Abb. I: Ähnlichkeiten zwischen Bulks von Sorten, Zuchtstämmen, Inzuchtlinien und Genbankakzessionen des Welschen Weidelgrases und vier Sorten des Deutschen Weidelgrases

