

7 Anhang

Anhang 1: Sequenzen der für PCR-Reaktionen verwendeten Oligonukleotide.

Name	Sequenz	Bemerkung
MKP5	TAGCGGATCCACATGCTGGGTAAAGGC	für Subklonierung von MPK1 in pGEX-5X-2
MKP6	TAGTGGATCCCCGGCGATGGTCAATACACC	für Subklonierung von MPK1 in pGEX-5X-2
2HP1	ATATGTCGACCTAACCCGGCGAT	für Subklonierung von MPK1 in pBD-HA
2HP2	ATATGTCGACTGCACATGCTGGGTAAAG	für Subklonierung von MPK1 in pBD-HA
SDP1	ATATGGATCCATGGCTAACCCGGCGATG	für Subklonierung von MPK1 in pBT4
SDP2	ATATGGTACCTGCACAGTCTGGGTAAAGGC	für Subklonierung von MPK1 in pBT4
K6fo2	GGATCCATGGCTAACCCAGGCGATGG	für Subklonierung von MPK2 in pGEX-2T-2
K6rev2	GAGCTCGAGTTATGCCATGCCTGGGTAAAGG	für Subklonierung von MPK2 in pGEX-2T-2
K6fo4	GAATTCGCCATGGCTAACCCAGGCGATGG	für Subklonierung von MPK2 in pBT4
K6rev3	GGTACCGGATCCTGCCATGCCTGGGTAAAGG	für Subklonierung von MPK2 in pBT4
K5fo2	GGATCCATGGACGGTTCAACTCAGCC	für Subklonierung von MPK3 in pGEX-2T-2
K5rev2	GAGCTCGAGTTACATCTGCTGATGCTCAGG	für Subklonierung von MPK3 in pGEX-2T-2
K5fo4	GAATTCGCCATGGACGGTTCAACTCAGCC	für Subklonierung von MPK3 in pBT4
K5rev3	GGTACCGGATCCCATCTGCTGATGCTCAGG	für Subklonierung von MPK3 in pBT4
K3fo2	GGATCCATGGAGTCAAGTTCTGCAGCTAC	für Subklonierung von MPK4 in pGEX-2T-2 und pRT100
K3rev2	GGATCCTCAGAGAATCGGGTCAGGATTG	für Subklonierung von MPK4 in pGEX-2T-2 und pRT100

Anhang 2: Sequenzen der für Punktmutagenesen verwendeten Oligonukleotide.

Name	Sequenz	Bemerkung
M1	GCATTAGCAATCTTCCGGACCGCAACCATCTC	für MPK1 ^{K72R}
M2	GTGCAAATTGGTTCATTAGCTATATCATGTAAT	für MPK1 ^{D337N}
SDK602	GAGTTTATGACAGAATTTGTTGTCACTAGATGG	für MPK2 ^{Y198F}
SDK604	GATTACATGATGTGTCTAATGAACCAGTTTGC	für MPK2 ^{D336N}
SDK502	GATTTTATGACAGAATTTGTTGTTACAAGATGG	für MPK3 ^{Y214F}
SDK504	CTGCACGACATCAGTAACGAGCCTGTATGTG	für MPK3 ^{D348N}
SDK302	GATTTTATGACTGAATTTGTTGTTACTCGCTGG	für MPK4 ^{Y200F}

Anhang 3: Sequenzen der für die automatische Sequenzierung verwendeten Oligonukleotide.

Name	Sequenz	Bemerkung
T3	AATTAACCCTCACTAAAGGG	-
T7	GTAATACGACTCACTATAGGGC	-
MPK1	TAGAGGGATCAAACGTAAGC	für MPK1
MPK2	GGACGATGAGTTCATGACAG	für MPK1
MPK11	GTGTCCATTAGTTCAGTAGC	für MPK1
KO6fo1	TGTATCAGCTCCTTCGAGGAC	für MPK2
KO6rev1	CACAGACCAAACATCTATAGC	für MPK2
KO5fo1	TCAGAGGAGCATTGCCAGTAC	für MPK3
KO5rev1	GAGTCACACGAGCTAATCC	für MPK3
2HSAD5	AGGGATGTTTAATACCACTAC	für pAD-GAL4
2HSAD3	GCACAGTTGAAGTGAAGTTGC	für pAD-GAL4

Anhang 4: DNA-Sequenz des längsten Petersilie-MPK1-cDNA-Klons und abgeleitete Aminosäuresequenz des längsten offenen Leserahmens.

3	cacgaggagaagttgagatntagagagagatagtgagaaATGGCTAACCCCGCGATGGT	62
1	M A N P G D G	7
63	CAATACACCGATTTTCCGGCGATTCAAACACACGGAGGACAGTTCATTTCAGTACAATATA	122
8	Q Y T D F P A I Q T H G G Q F I Q Y N I	27
123	TTTGAAATTTATTCCAAGTTACGAAGAAGTATCGGCCTCCGATCATGCCTATTGGCCGT	182
28	F G N L F Q V T K K Y R P P I M P I G R	47
183	GGTGTTCACGGTATCGTCTGTTCAATTATGAATACGGAGACGAATGAGATGGTTGCGGTC	242
48	G A Y G I V C S I M N T E T N E M V A V	67
243	AAGAAGATTGCTAATGCTTTTGATAATTACATGGATGCCAAGCGAACTTTGAGGGAGATT	302
68	K K I A N A F D N Y M D A K R T L R E I	87
303	AAGCTTCTTCGTCATTGATCATGAGAATGTCATAGCAATTACTGATGTAATTCCTCCA	362
88	K L L R H L D H E N V I A I T D V I P P	107
363	CCTTTAAGGAGGAATCACTGATGTTTACATTGCTACTGAACTAATGGACTGATCTT	422
108	P L R R E F T D V Y I A T E L M D T D L	127
423	CACCAATCATTTCGATCTAATCAAGGTCTATCAGAGGAACACTGTCAGTATTTCTTGAT	482
128	H Q I I R S N Q G L S E E H C Q Y F L Y	147
483	CAACTGCTTCGAGGACTAAAAATATTCATTCTGCAACATCATCCATCGAGACTTAAAG	542
148	Q L L R G L K Y I H S A N I I H R D L K	167
543	CCCAGCAATTTGTTGTTGAATGCAAACTGTGATCTGAAAATTTGTGATTTGGTCTTGT	602
168	P S N L L L N A N C D L K I C D F G L A	187
603	CGTCATAATACGGACGATGAGTTCATGACAGAATATGTTGTCACTCGATGGTATAGAGCA	662
188	R H N T D D E F M T E Y V V T R W Y R A	207
663	CCTGAGCTGCTGTTGAACTCTCCGATTATACTGTTGCAATAGATGTTTGGTCACTGGGT	722
208	P E L L L N S S D Y T V A I D V W S V G	227
723	TGCATATACATGGAGCTAATGAACAGGAAACCTTTGTTGCGGGTAAAGATCATGTGCAC	782
228	C I Y M E L M N R K P L F A G K D H V H	247
783	CAGATGCGGTTGTTGACCGAGCTTCTTGCCCTACCGACCGAAGCAGATCTTGGATTTGTT	842
248	Q M R L L T E L L G S P T E A D L G F V	267
843	CGAAATGAGGATGCAAAAAGATTTATTCTGCAGCTTCCTCGACACCCTCGTCAGCCTCTA	902
268	R N E D A K R F I L Q L P R H P R Q P L	287
903	AGGCAGCTGTATCCACAAGTCCATCCTTTGGCCATTGACCTTATTGATAAAATGCTTACG	962
288	R Q L Y P Q V H P L A I D L I D K M L T	307
963	TTTGATCCCTCTAAAAGAATTACAGTTGAAGAAGCATTAGCCCATCCGTACTIONTGGCAAGA	1022
308	F D P S K R I T V E E A L A H P Y L A R	327
1023	TTACATGATATAGCTGATGAACCAATTTGCACAAAACCGTTCTCGTTTGAATTTGAGACT	1082
328	L H D I A D E P I C T K P F S F E F E T	347
1083	GCACATCTTGGAGAAGAGCAGATAAAGGACATGATTTACCAGGAGGCATTAGCCTTTAAC	1142
348	A H L G E E Q I K D M I Y Q E A L A F N	367
1143	CCAGACTGTGCATAAAtatattcatagtatgcaccatctgcttgaccctttctgtttcac	1202
368	P D C A *	371
1203	ccctttttttgagatgtacctcaagaagttcattataaagcaattaattgggttagtgtgg	1262
1263	gtgattgaagaagctgaaggcagcagtactgcatgtgacggaaggctaataagcaagtggg	1322
1323	acgcaatacactcagtgccgggattgctttgcttagcagatccaacatattctgtgttct	1382
1383	tgtttactttgattagttttcctttgattagttttccatttttattgcatcttgcact	1442
1443	tctgctgacaaatataattttattgtcacactctcattttcccgctctctttgttgtaaaa	1502
1503	ctttctgtttagttttttattggaaggagttattttctttggttc	1547

Anhang 5: DNA-Sequenz des längsten Petersilie-MPK2-cDNA-Klons und abgeleitete Aminosäuresequenz des längsten offenen Leserahmens.

3	cacgaggagagagagaggagaATGGCTAACCCAGGCGATGGTCAGTATGATTTTCCTGCG	62
1	M A N P G D G Q Y D F P A	13
63	ATTGCAACGCATGGAGGACGCTTCATTTCAGTACAATATATTTGAAAATTTGTTTCGAGGTG	122
14	I A T H G G R F I Q Y N I F E N L F E V	33
123	ACTGCTAAGTATCGCCCTCCGATCATGCCTATAGGCCGTGGTCTTACGGAATGTCTGT	182
34	T A K Y R P P I M P I G R G A Y G I V C	53
183	TCGATTATGAATACGGAGGCGAATGAGATGGTTGCGATTAAGAAGATTGCGAATGCTTTT	242
54	S I M N T E A N E M V A I K K I A N A F	73
243	GATAATTACATGGATGCCAAAAGAACTCTGAGGGAGATTAAGCTTCTTCGTCATTTGGAT	302
74	D N Y M D A K R T L R E I K L L R H L D	93
303	CATGAGAATATCATAGCTTTAACAGATGTAATTCCTCCACCTGTAAGGAGGAATTTTCAGT	362
94	H E N I I A L T D V I P P P V R R N F S	113
363	GATGTTTATATGCTACCGAACTTATGGACACTGATCTTCACCAGATCATTTCGATCTGCT	422
114	D V Y I A T E L M D T D L H Q I I R S A	133
423	CAGGTTTTATCAGAGGAGCATTCTCAGTATTTCTTGATCAGCTCCTTCGAGGACTAAAA	482
134	Q V L S E E H S Q Y F L Y Q L L R G L K	153
483	TATATACATTCTGCAAACATAATCCACCGAGACTTGAAGCCTAGCAACCTTCTACTGAAT	542
154	Y I H S A N I I H R D L K P S N L L L N	173
543	GCCAAATGTGATCTGAAGATTTGTGATTTTGGTCTCGTCTCGTCCAAACTGATGATGAG	602
174	A N C D L K I C D F G L A R P N T D D E	193
603	TTTATGACAGAATATGTTGTCACTAGATGGTATAGAGCGCCTGAGCTGCTATTGAACTCT	662
194	F M T E Y V V T R W Y R A P E L L L N S	213
663	TCTGATTATACTGCTGTATAGATGTTTGGTCTGTGGTTGTATCTACATGGAGCTAATG	722
214	S D Y T A A I D V W S V G C I Y M E L M	233
723	AACAGAACGCCTTTATTTGCCGGTAGAGATCATGTGCACAAAATGCGATTGTTGACTGAG	782
234	N R T P L F A G R D H V H K M R L L T E	253
783	TTGCTTGCAGCACCAACTGAGCCCGATCTTGGATTTGTTGAAATGAAGATTCAAGAAGA	842
254	L L A A P T E P D L G F V R N E D S R R	273
843	TATATTCTGCAGCTTCCTCGACGTCCTCGTCTGTCTACTAAGAATGCTTTATCCACAAGTC	902
274	Y I L Q L P R R P R L S L R M L Y P Q V	293
903	CATCCTGTAGCCATCGACCTCATTGATAAAATGCTTACATTTGATCCCTCCAAAAGAATT	962
294	H P V A I D L I D K M L T F D P S K R I	313
963	ACAGTGAAGAAGCATTAGCTCATCCCTATCTGGAGAGATTACATGATGTGTCTGATGAA	1022
314	T V E E A L A H P Y L E R L H D V S D E	333
1023	CCAGTTTGCTCAAAACCGTTCTCGTTTGAGTTTGAGACGGCACATCTTGAGAAGAACAG	1082
334	P V C S K P F S F E F E T A H L G E E Q	353
1083	ATAAAGAGATGATTTACCAGGAGGCCTTATCCTTTAACCCAGGCATGGCATAAcatata	1142
354	I K E M I Y Q E A L S F N P G M A *	370
1143	gcctccattggaacccttccctttttcctttcgaatatttcaaagaaaaatggtatgat	1202
1203	atatgaagaaatgaatctgtagtgagtgctgaagaaagcagtttcaatctgataaaaa	1262
1263	ctcatcaaaaagcaacagcatggaaaacatttgaggtgtgttttcttagcggattctaga	1322
1323	gatccctgctctgggtcaactttatcagtttctttgttttggttttgtccttgcattcttt	1382
1383	gctgacagatgaacttccagccttaatttctgtttatccatttgcccgtttcttttt	1442
1443	tacaaatattttttgttgaaggattccattcctttgtttcattatgatgttcataccc	1502
1503	aggtatatgaaatgtagcatgtattttaaccatattatgttgagcacatcatattgta	1562
1563	cttaaaactctctgtcataacatagctctcaatttggttgttcataaaaaaaaaaaaaa	1622
1623	aaaaaa	1628

Anhang 6: DNA-Sequenz des längsten Petersilie-MPK3-cDNA-Klons und abgeleitete Aminosäuresequenz des längsten offenen Leserahmens.

2	ggcagagccgagatcttcaaaacacacacgcacacactttgtatctaATGGACGGTTCA	61
1		4
		M D G S
62	ACTCAGCCATCCGACACCGTGATGTCCGACGCAGCTCCGGCATCTCAAACCGCCGGGATC	121
5	T Q P S D T V M S D A A P A S Q T A G I	24
122	GAGAATATTCCGGCGAGTCTGAGCCACGGCGGGCGTTTCATTAGTACAACATCTTCGGT	181
25	E N I P A S L S H G G R F I Q Y N I F G	44
182	AACATCTTCGAAGTGACTGCTAAGTATAAGCCTCCTATCTTGCCTATCGGTAAAGGCGCT	241
45	N I F E V T A K Y K P P I L P I G K G A	64
242	TATGGCATCGTTTGTTCGGCGTTGAATTTGGAGACGAATGAACACGTGGCAATTAAGAAG	301
65	Y G I V C S A L N L E T N E H V A I K K	84
302	ATTGCTAATGCTTTCGATAATAAAGTCGATGCTAAGAGGACTTTGCGCGAGATTAAGCTT	361
85	I A N A F D N K V D A K R T L R E I K L	104
362	CTTCGCCACATGGATCAGGAAAATGTTGTTGCAATTAGAGATATTATACCGCCACCTCAG	421
105	L R H M D H E N V V A I R D I I P P P Q	124
422	AGGGGGTCATTTAATGATGTGTACATTGCATATGAGCTTATGGATACAGATCTCCATCAA	481
125	R G S F N D V Y I A Y E L M D T D L H Q	144
482	ATTATTCGTTCAAACCAAGGGCTATCAGAGGAGCATTGCCAGTACTTTTGTATCAGATC	541
145	I I R S N Q G L S E E H C Q Y F L Y Q I	164
542	CTCCGGGGTTGAAATACATACATTCTGCAAACGTTTACATAGAGACTTGAAACCCAGC	601
165	L R G L K Y I H S A N V L H R D L K P S	184
602	AATCTGCTTTTAAATGCCAATGTGATCTTAAATATGTGATTTTGGATTAGCTCGTGTG	661
185	N L L L N A N C D L K I C D F G L A R V	204
662	ACTTCCGAAACTGATTTTATGACAGAATATGTTGTTACAAGATGGTACAGAGCACCAGAG	721
205	T S E T D F M T E Y V V T R W Y R A P E	224
722	CTATTATTAATTCATCTGATTATACTGCTGCCATTGATGTATGGTCAGTGGGATGCATT	781
225	L L L N S S D Y T A A I D V W S V G C I	244
782	TTCATGGAGTTGATGGACAGGAAGCCTTTATTTCTGGCAGAGATCACGTACACCAACTC	841
245	F M E L M D R K P L F P G R D H V H Q L	264
842	CGATTGCTGATGGAGCTGATTGGCACACCTTCAGAGGCGGAACTAGAGTTTCTGAATGAA	901
265	R L L M E L I G T P S E A E L E F L N E	284
902	AATGCAAAAAGATACATTAGGCGACTTCCTCTTATCGTCGGCAGTCACTGACTGAAAAA	961
285	N A K R Y I R Q L P L Y R R Q S L T E K	304
962	TTTCCAAATGTTTCATCCTTCTGCTATAGATCTTGTGAGAAGATGTTGACATTTGATCCT	1021
305	F P N V H P S A I D L V E K M L T F D P	324
1022	AGAAGGAGACTTACAGTTGAAGATGCACTGGCACATCCCTACCTCACGTCACTGCACGAC	1081
325	R R R L T V E D A L A H P Y L T S L H D	344
1082	ATCAGTGACGAGCCTGTATGTGCTGCTCCTTTTAGCTTTGACTTTGAACAGCATGCATTG	1141
345	I S D E P V C A A P F S F D F E Q H A L	364
1142	ACTGAAGAACAGATGAGGGAGCTAATCTACAGAGAGGCTCTCGCATTCATCTGAGCAT	1201
365	T E E Q M R E L I Y R E A L A F N P E H	384
1202	CAGCAGATGTAAggaactaattgggtgttgttgttggtgggacttgtggttacaactggtg	1261
385	Q Q M *	387
1262	tgttctgtttttttttttttctcataattttccccatgacattctcatggatgatggc	1268
1322	actggaatttgagagatactgatgtggaatggtaattagatttttcaattattaaattt	1381
1382	tcagcttgaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa	1389

Anhang 7: DNA-Sequenz des längsten Petersilie-MPK4-cDNA-Klons und abgeleitete Aminosäuresequenz des längsten offenen Leserahmens.

3	cacgagaaaaaagttatgcattcacacgtgaaattgtcacccttcacggatgatcatgt	62
63	cttttttagttcaaaaagagtgccctttttcacaattcacagtttctttcttactttt	122
123	cttgattttctatatttttcagtgtaaaaaatgtcacacccgtcttccattttccaccata	182
183	atccactaaagaaatgtcaacaacttgattggaaaatacccttctcttcttccctaaat	242
243	ttagtagcttcttgttcttgttttgttctaaattgtcttcttggttgagtttctgagtaa	302
303	ttttctgttttgggggttaatttttttggttaagtagaggaatctATGGAGTCAAGTTCT	362
1	M E S S S	5
363	GCAGCTACAGCTGATCATAACATATCAAAGGTGTGCCTACTCATGGTGGACGCTATGTT	422
6	A A T A D H T H I K G V P T H G G R Y V	25
423	CAGTACAATGTGTATGGTAATCTCTTTGAAGTTTCTCGAAAATATGTTCTCCAATCCGC	482
26	Q Y N V Y G N L F E V S R K Y V P P I R	45
483	CCTGTCGGCCGTGGCGCTTATGGTATAGTTTGTGCTGCTATGAACTCTGATACGCGTGAG	542
46	P V G R G A Y G I V C A A M N S D T R E	65
543	GAGTTGCCATCAAGAAAATTGGTAATGCATTGACAAATCGAATAGATGCCAAAAGGACA	602
66	E V A I K K I G N A F D N R I D A K R T	85
603	CTTCGGGAAATTAACCTTCTTCGTCACATGAATCATGAAAATGTAATTGCAATTAAGAC	662
86	L R E I K L L R H M N H E N V I A I K D	105
663	ATCATAAGGCCTCCACAGATTGAAAGTTTCAATGATGTTTACATTGTTTACGAACTGATG	722
106	I I R P P Q I E S F N D V Y I V Y E L M	125
723	GACACAGATCTTCATCAAATAATTCGCTCTAACCAGCAACTCACTGATGATCATTGTCGG	782
126	D T D L H Q I I R S N Q Q L T D D H C R	145
783	TATTTTCTTTACCAACTATTGCGAGGACTGAAATATGTTTCTGCAAAATGCTCTGCAT	842
146	Y F L Y Q L L R G L K Y V H S A N V L H	165
843	CGTGATTTAAAGCCGAGCAATTTGCTCCTCAATGCAAATTTGTGACCTAAAAATGGAGAT	902
166	R D L K P S N L L L N A N C D L K I G D	185
903	FTCGGCCTTGCAAGGACAACCTCTGAAACTGATTTTATGACTGAATATGTTGTTACTCGC	962
186	F G L A R T T S E T D F M T E Y V V T R	205
963	TGGTACCGAGCACCAGAATTGCTCCTTAATTGCTCAGAGTATACTGCAGCAATGATATC	1022
206	W Y R A P E L L L N C S E Y T A A I D I	225
1023	TGGTCAAGTTGGTTCATACTTGGTGAAGTTATGACCAGACAGCCCCTGTTCCCTGGGAAA	1082
226	W S V G C I L G E V M T R Q P L F P G K	245
1083	GATTATGTTTCATCAGCTGAGACTAATTAAGTACTGAGCTCATAGGTTACCTGATGATGCCAGT	1142
246	D Y V H Q L R L I T E L I G S P D D A S	265
1143	CTTGGATTCTCAGAAGTGATAATGCTCGAAGATACGTGAGGCAGCTTCCCCAGTATCCA	1202
266	L G F L R S D N A R R Y V R Q L P Q Y P	285
1203	AAGCAACAATCTCTGCTAGATTTCTTAACAAATCTCCTGGAGCTCTAGATTTGCTGGAA	1262
286	K Q Q F S A R F L N K S P G A L D L L E	305
1263	AAAATGCTAATCTTTGATCCCAACAGGCGCATTACAGTTGACGAGGCCTTTGCCACCCA	1322
306	K M L I F D P N R R I T V D E A L C H P	325
1323	TACTTGGCAGCTCTTCATGACATAAACGAGGAACTGTTTGTCTCGCCCTTTTAGTTTT	1382
326	Y L A A L H D I N E E P V C P R P F S F	345
1383	GACTTTGAGCAGCCAACGTGCACTGAAGAAAATATCAAGGAACTTATCTGGAAGGAATCT	1442
346	D F E Q P T C T E E N I K E L I W K E S	365
1443	GTGAAGTTCAATCCTGACCCGATTCTCTGAgatcatgttatagtgattggttatcaaatg	1502
366	V K F N P D P I L *	374
1503	aatattatagatggttgaacatgaattaatattgtatcaaaactaattaagaatgatcct	1562
1563	caagtagaattgatcaataaataagaatggatatactgagggtaaccaggttgttccca	1622
1623	ctattgaaattaagattcatttgtcattcttaacttgaaatattccaatgctgcagctct	1682
1683	gagttgcagattattttaagcttttactttggtgcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa	1736

Anhang 8: DNA-Sequenz des längsten Petersilie-MPK5-cDNA-Klons und abgeleitete Aminosäuresequenz des längsten offenen Leserahmens.

1	GCACGAGCAGATCTTCATCAGATAAATCGCTCTAACCAACAACCTTACAGATGATCATTGC	60
1	A R A D L H Q I I R S N Q Q L T D D H C	20
61	AGGTATTTTCTTACCAGCTTTGCGAGGACTGAAGTATGTTTATTCTGCAAATGCTCTG	120
21	R Y F L Y Q L L R G L K Y V H S A N V L	40
121	CACCGTGACTTGAAGCCTAGCAATCTGCTCCTCAATGCAAATTGTGACTTGAAAATTGGA	180
41	H R D L K P S N L L L N A N C D L K I G	60
181	GATTTCCGGTCTTGCAAGGACAACCTTCTGAAACTGATTTTATGACTGGAATATGTTGTTACT	240
61	D F G L A R T T S E T D F M T E Y V V T	80
241	CGCTGGTACCGGGCCCCTGAATTGCTCCTTAATGCTCAGAGTACACTGCAGCAATTGAT	300
81	R W Y R A P E L L L N C S E Y T A A I D	100
301	ATCTGGTCAGTTGGTTGCATACTCGGTGAGATTATGACCAGACAGCCCTTGTCCCTGGC	360
101	I W S V G C I L G E I M T R Q P L F P G	120
361	AAAGATTATGTTTATCAGCTGAGACTTATTACCGAGCTCATAGGTTACCTGACGATGCC	420
121	K D Y V H Q L R L I T E L I G S P D D A	140
421	AGTCTTGGGTTTCTCAGAAGTGATAATGCCCGAGATACGTGAGGCAGCTTCCCCAGTAT	480
141	S L G F L R S D N A R R Y V R Q L P Q Y	160
481	CCAAGGCAACTATTCTCAGCTAGATTTCTTAACAAATCTCCAGGAGCTCTAGATTTGCTG	540
161	P R Q L F S A R F L N K S P G A L D L L	180
541	GAGAAAATGCTCATCTTTGATCCCAACCGGCGTATTACAGTTGATGAGGCACTCTGCCAC	600
181	E K M L I F D P N R R I T V D E A L C H	200
601	CCATACTTGGCACCTCTTACGATATTAACGAGGAGCCTGTTTGTCTCAGCCTTTTAGT	660
201	P Y L A P L H D I N E E P V C P Q P F S	220
661	TTGACTTTGAGCAGCCATCATGCACCGAAGAGAATATCAAGGAACCTCATCTGGAGGGAA	720
221	F D F E Q P S C T E E N I K E L I W R E	240
721	TCTGTTAAATCAATCCTGACCCGATTTATTAAGGAGTTCATTTGCTAAGTGAGTGTG	780
241	S V K F N P D P I Y *	250
781	ttgaatgctgtagatatttgcagtgccaaaaccatttaagaattatcctcaagtagatc	840
841	tgatcaaataaacagagtggataaattgcgattcatttatcatccttgtaattctgag	900
901	ctgcgtagactagtagagttcatagttggtgctctttgcagagtattctctctttttat	960
961	cttggtggtgaaagtatctttccgaaaatgtagtcagttttaactggttcttttaaaa	1020
1021	aaaaaaa	1027

Anhang 9: DNA-Sequenz des Petersilie-2H1-cDNA-Klons und abgeleitete Aminosäuresequenz des längsten offenen Leserahmens.

1	GGCACGAGGGCTAATGTTTCATGATTCTTTGCCTCCGCGTGACGATCATTTTCATATCATA	60
1	G T R A N V H D S L P P R D D H F I S Y	20
61	TCAACTCCTCTCCAACAAGTTAACCTTAGTAAAAACCAGAAACCGAAATTATTC AAGTCT	120
21	S T P L Q Q V N L S K N Q K P K L F K S	40
121	TTTCATCTTTTACTGACGTAAACAAGAAGAATCTAGCACCAGTGCAATCTTCTAGCCAT	180
41	F H S F T D V N K K N L A P V Q S S S H	60
181	GAGGATACGGACAAGAAGAAGAAGAATTCGGGTATACGAAATATATTTGGTAAGCCG	240
61	E D T D K K K K K N S G I R N I F G K P	80
241	AGTAAAAGAAGTGATTATGAGCCGCCTTTGACAGCTCCTTCTGATAAAAAAGGCACCTAGT	300
81	S K R S D Y E P P L T A P S D K K A P S	100
301	TTAGGTCAACTGCAACGATTTTCGAGTGGTCGAAATTCGTTATCGAATTTTGATTGGACG	360
101	L G Q L Q R F S S G R N S L S N F D W T	120
361	ACTGCACAGATATCTCCGGCAGAGGAGCATGATGATGAGAGCGACGCAGAGTGGGATGAA	420
121	T A Q I S P A E E H D D E S D A E W D E	140
421	GAAGATGCCAAGATATCGTTTTTCAGCACCGATAAGTTTGAGTAGCTGCAGTGTGGCTAAT	480
141	E D A K I S F S A P I S L S S C S V A N	160
481	GTAGAGCCGAGAAAAGAGATTAAATTTGTGGAAGAGAAGAACTATGCCTCAACCTAAGCCT	540
161	V E P R K E I N L W K R R T M P Q P K P	180
541	CCTCAACTTAATACTTGAcctcatgtaaggaccatcaccccnnnnnnnnnngggttga	600
181	P Q L N T *	185
601	cctcagaagatttgtttatcctttaatattgttttacagattctatttcttttgaatta	660
661	agttttgatgcttgatgaatcaggcttgacataaattgcttacttaaacagattattat	720
721	ttgccccaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa	726

Anhang 10: DNA-Sequenz des Petersilie-2H4-cDNA-Klons und abgeleitete Aminosäuresequenz des längsten offenen Leserahmens.

1	AAGCTGGGTCGGTCTACTAACAGTGCTCCCATCTTGAAGATTCAAAGGGGTGACATCACC	60
1	K L G R S T N S A P I L K I Q R G D I T	20
61	CGATGGTTTGTGATGCCTCTTCCGATGCTATTGTTAATCCGGCCAATGAGCGAATGCTT	120
21	R W F V D A S S D A I V N P A N E R M L	40
121	GGTGGTGGTGGTGCTGATGGTCTATTTCATAGAGCTGCTGGTCCGGAACCTCAGAGAATCA	180
41	G G G G A D G A I H R A A G P E L R E S	60
181	TGCTATAGTGTGCCTGAAGTTCGACCTGGAGTCGCTGCCAACTGGAGAAGCAAGGATC	240
61	C Y S V P E V R P G V R C P T G E A R I	80
241	ACCCCAAGATTTCGGTTGCCAGCCTCTCATGTTATTACACTGTTGGGCCAATATATGAT	300
81	T P G F R L P A S H V I H T V G P I Y D	100
301	GTTGATAGCAACCCTGCAGCCTCTTTAAGAGGCTCATAAGAAACAGTTTGCATGTTGCT	360
101	V D S N P A A S L R G S Y R N S L H V A	120
361	AAAGACAACAACATTAAGTTTATCGCGTTTCCTGCCATATCTTGGGGTGTATGGATAT	420
121	K D N N I K F I A F P A I S C G V Y G Y	140
421	CCTTATGGCGAAGCTGCAACTCTGGCTATATCAACAGTTAAAGAGTACGCAAATGGCCTC	480
141	P Y G E A A T L A I S T V K E Y A N G L	160
481	AATGAGGTGCATTTCTGCTTTGTTGAGGAATCTGTTTACAATGTTTGGTTAAGCAAGGCA	540
161	N E V H F V L F E E S V Y N V W L S K A	180
541	AATGAATTGCTCCAACTTAGtgctcacgttttgcattcaaaatggcattaatctgctta	600
181	N E L L Q T *	186
601	gatgttttttgggatcaagaatgcagaaaatggagtttaggtttgaggttaaatatgtcaa	660
661	cttgattgcattcaagctactggacctctggtattatgaatgaatatgtgtaacaccac	720
721	gctctgatttaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa	731